

# Katalog Buhajów

Kwiecień 2026

**GENEX™**  
DLA POKOLEŃ

## SPIS TREŚCI

HerdMonitor.....	3
Bolusy wapniowe CAL24.....	4
Ranking ICC™ Ogólny.....	5

### Buhaje wycena na córkach

POWERHOUSE.....	6
EMPOWERED.....	7
MATTERHORN.....	7
NISSANY.....	8
ZAPPY.....	8

Indeks ICC™ - dowiedz się więcej.....	9
Indeks ICC™ - dowiedz się więcej.....	10
Indeks ICC™ - dowiedz się więcej.....	11

### Buhaje wycena genomowa

AMETHYST.....	12
BEEZER.....	12
BREEZYBANDIT.....	13
BULLPOCALYPSE.....	13
CHECKERS-P-RED.....	14
CONQUER-PP.....	14
CREED-P.....	15
CRUSHPROOF.....	15
DIBLEDABLE.....	16
DYNAMITERAVE.....	16
FARGO.....	17
HARDBALL.....	17
FORE.....	18
GLOWUP.....	19
HILBERT-RED.....	20
HUXLEY.....	20
HOLLA.....	21
LEX-PP-RED.....	22
LONGMIRE.....	22
LORAX.....	23
PINGPONG.....	23
PULSAR.....	24
SOLOCUP-RED.....	24
SPELLBOUND.....	25
TILTAWHIRL.....	25
WILDONE.....	26
ZIMMER.....	26
ZINGZANG.....	27

Nasienie seksowane GenChoice™.....	27
------------------------------------	----

### Buhaje rasy Brown swiss

LATITUDE.....	28
PATRON.....	28

### Buhaje rasy Jersey

KINGKONG-PP.....	29
TRIUMPH {6}.....	29
YARO {6}.....	30
ZIPLINE {6}.....	30

### Buhaje rasy Angus

RAFIKI.....	31
-------------	----

### Buhaje rasy Red Angus

COLD FRONT.....	31
-----------------	----

HerdMonitor.....	32
Aplikacja GENEX Bull Search.....	32

### Inne rasy

URBIS PP.....	33
HURON PP.....	33
HAVLMAR.....	33
VIGO PP.....	34

Genomowanie.....	34
Terminologia.....	35

**GENEX™**  
DLA POKOLEŃ



## GENEX jest tutaj dla Ciebie i dla przyszłych pokoleń.

W GENEX bardzo zależy nam na przyszłości hodowli bydła mlecznego i rodzinach, które poświęcają tej pracy swoje życie. Od 1939 GENEX wspiera rolników, pomagając im budować zdrowe, płodne i zrównoważone stada.

Nasza misja jest prosta, ale potężna: chcemy **być Twoim zaufanym partnerem, dostarczającym nowoczesne rozwiązania w zakresie genetyki, zdrowia stada i analiz opartych na danych**, które pomogą Ci prosperować teraz i przez kolejne pokolenia. Dzięki zaangażowaniu opartemu na trosce i współpracy oferujemy nie tylko produkty, ale także rozwiązania, które pomogą Twojemu stadu osiągnąć pełny potencjał genetyczny - **bardziej wydajne, zrównoważone i produktywne bydło.**



# HerdMonitor™

## System Monitorowania Krów

Spraw, aby każda decyzja miała znaczenie dzięki systemowi monitorowania krów GENEX HerdMonitor™, zasilanemu technologią Nedap.

Uzyskaj dostęp do informacji o stanie zdrowia krów i rui w czasie rzeczywistym, abyś mógł podejmować decyzje, działać szybko i osiągać doskonałe wyniki w zakresie wydajności stada.



### Wykrywanie Rui

Automatycznie monitoruj ruję krów przez całą dobę. System HerdMonitor™ pokazuje listę krów w rui z optymalnym terminem inseminacji oraz dane rozrodcze ułatwiające wykrycie nieregularnych, cichych rui i krów niecielných.



### Monitorowanie Zdrowia

System porównuje zachowanie krowy z wartościami optymalnymi, wcześniejszymi wzorcami i grupą, wykrywając zmiany i wysyłając alerty, zanim problemy zdrowotne się nasilą. Idealny do intensywnego monitorowania krów w okresie przejściowym i po leczeniu, chroni czujność i wydajność stada.



### Trendy Wydajności Stada

Analizuj wzorce zachowań w grupach krów i całym stadzie, by ocenić wpływ decyzji i czynników zewnętrznych. Alerty o nietypowych zmianach umożliwiają szybką reakcję na zagrożenia dla zdrowia, produkcji mleka i rozrodu.



### Lokalizowanie Krów

Szybko lokalizuj krowy wymagające uwagi dzięki pozycjonowaniu w czasie rzeczywistym na mapie obory. Monitoruj je jednym kliknięciem na dowolnym urządzeniu, oszczędzając czas, usprawniając reakcję na alerty i pracę zespołu.



### Dostępność

System monitorowania krów GENEX HerdMonitor™ łatwo integruje się z Twoim obecnym systemem zarządzania stadem. Elastyczne raporty i konfigurowalne alerty zapewniają stały dostęp do danych – w oborze i w podróży.

Jeśli jesteś zainteresowany  
- skontaktuj się ze swoim przedstawicielem GENEX  
lub wyślij maila na adres: [biuro@genex.coop](mailto:biuro@genex.coop)

**GENEX™**  
DLA POKOLEŃ

# Less Drama for Mama

z bolusami wapniowymi

## GENEX RumiLife® CAL24™



### Zminimalizuj stres okołoporodowy

Gdy po wycieleniu rośnie zapotrzebowanie na wapń, bolusy wapniowe GENEX RumiLife® CAL24™ działają natychmiast, zapewniając szybkie i długotrwałe wsparcie wapniowe w prostym systemie dwóch bolusów, dopasowanym do codziennej pracy w gospodarstwie.

1/2

Proste zarządzanie  
świeżo wycielonymi  
krowami



100g wapnia



Skuteczność  
przez 24 godziny



Przeznaczony dla  
wszystkich ras krów  
mlecznych

Skontaktuj się ze swoim przedstawicielem GENEX, aby włączyć RumiLife® CAL24™ do procedur dla świeżo wycielonych krów.

**GENEX™**  
DLA POKOLEŃ

### BUHAJE RASY HOLSZTYN

Genchoice	ICC	TP#	NM\$	PF	IE	Mleko	Tłuszcz %	Tłuszcz	Białko %	Białko	Oszczędność Paszy	Produkcja Życiowa	Komoriki Somaticzne	Płodność Córki	Wsk. Zaciełn Krów	Wsk. Zaciełn Jatełek	Katwość Wycielen Buhaja	Robotx	MUI	Beta Kazelina	Kappa Kazelina	Rodowód	
001H017864 GLOWUP	1130	3438	1040	brak	brak	659	110	0,31	55	0,12	165	49	5,2	2,64	0	2,1	3,8	1,3	105	9,9	AZA2	AB	AltaINSPIRE x ACHEVE x ZILLION
001H017972 PINGPONG	1124	3423	1139	brak	brak	1230	130	0,29	65	0,09	195	261	3,6	2,91	-1	0,3	0,6	1,4	102	9,5	AZA2	AB	AltaMAKEOVER x SHEEPSTER x GAMEDAY
001H016089 POWERHOUSE	1073	3448	1029	148	3125	1937	113	0,12	92	0,1	205	69	2,7	3,06	-2,2	-1,3	0,7	1,1	104	10,4	AZA2	AB	AltaWHEELHOUSE x AltaAZAZLE x POSITIVE
001H017667 PULSAR	1057	3385	950	149	2985	564	97	0,27	47	0,11	144	130	5,3	2,64	0,2	2,3	3,8	1,2	103	10,8	AZA2	AA	EXCITEMENT x ACHEVE x ZILLION
001H017248 LORAX	1054	3298	997	144	3104	853	96	0,22	44	0,06	140	198	5,6	2,67	-0,5	1,3	1	1,1	106	10,5	AZA2	AB	LOCKSTEP x UPSIDE x ALTAZAZLE
001H017764 FORE	1007	3400	943	149	3391	923	104	0,24	52	0,08	156	-4	4,5	2,75	-0,3	1,2	2,7	1,5	107	12,6	AZA2	AB	AltaINSPIRE x AltaJANUS x AltaWHEELHOUSE
001H017959 HOLLA	1000	3448	859	brak	brak	970	93	0,19	60	0,1	153	-165	4,5	2,81	0,7	2,4	2,4	1,4	105	13,6	AZA2	BB	AltaINSPIRE x LETCHWORTH x CONWAY
001H016794 AMETHYST	981	3312	902	139	2561	1265	98	0,17	47	0,02	145	111	4,3	2,76	-0,5	1,3	3,7	1,6	102	12,8	AZA2	AB	MOMENTO x AltaWHEELHOUSE x LIONEL
001H017016 CRUSHPROOF	961	3285	945	140	3068	1111	113	0,24	50	0,05	163	97	3,5	2,71	-1,6	0,2	3	1,4	104	12,7	AZA2	AB	ACHEVE x EXTREMO x YIS
001H017369 SPELLBOUND	894	3364	890	147	3011	592	113	0,33	63	0,16	176	21	2,8	2,7	-2	-0,7	-0,4	1,4	96	10,2	AZA2	AB	AltaOVERDRIVE x POWERHOUSE x AHEAD
001H016772 TILTAWHIRL	880	3202	838	135	2544	1474	96	0,13	52	0,01	148	31	3,2	2,9	-1,7	0,1	2,4	1,4	107	11,8	AZA2	AB	SPLENDIDO-P x AltaWHEELHOUSE x LIONEL
001H016191 MATTERHORN	878	3218	891	141	2787	937	100	0,22	40	0,03	140	84	4,1	2,84	-0,6	0	0,5	1	96	8,3	AZA2	AA	MOONRISE x PURSUIT x MEDLEY
001H017082 FARGO	877	3155	790	133	2377	962	82	0,15	41	0,03	123	177	3,7	2,84	-0,3	1,8	2,9	1,2	105	12	AZA2	AB	ACHEVE x MOONSHINER x ACURA
001H017636 HARDBALL	869	3303	792	143	2632	858	75	0,15	48	0,07	123	94	4,3	2,75	-0,5	0,3	2,5	1	104	12,5	A1A2	BB	EXCITEMENT x AltaWOODSIDE x ALTAMAGNIFIQUE
001H017148 BEEZER	833	3266	822	140	2505	1456	105	0,16	62	0,05	167	12	2,2	2,95	-2,5	-0,7	0,7	0,8	105	12,3	AZA2	AB	OLYMPUS x TAOS x LIONEL
001H015701 EMPOWERED	827	3128	760	134	3160	2107	53	-0,12	56	-0,05	109	235	3,6	2,78	-1,2	-0,2	0	1,4	97	9,7	AZA2	AB	EINSTEIN x DYNASTY x JOSUPER
001H017246 BREEZYBANDIT	809	3319	872	138	2305	930	126	0,32	50	0,07	176	30	1,5	2,95	-1,8	-0,2	1,8	1	99	11	AZA2	AB	MASTERPIECE x AltaWHEELHOUSE x LIONEL
001H017238 DIBLEDABLE	789	3170	645	152	3494	554	67	0,16	34	0,06	101	-144	4,7	2,58	1	2,7	3	1,5	99	9,7	AZA2	AB	VIVIFY x AltaKEVLOW x PURSUIT
001H016922 CONQUER-PP	753	3013	794	134	2499	1057	77	0,12	32	-0,01	109	400	3	2,83	-1,4	0,3	1,2	108	6,9	AZA2	AB	SPLENDIDO-P x DORSEY-P x ALTAZAZLE	
001H017110 LONGMIRE	707	3229	684	137	2355	522	98	0,28	44	0,1	142	-37	1,8	2,88	-0,3	1,1	0,3	2	104	12,9	A1A2	AB	MAVERICK x AltaWHEELHOUSE x MARIUS
001H016808 ZINGZANG	707	3179	778	145	2582	412	107	0,34	35	0,08	142	20	1,9	2,71	-1,4	0,3	1	1,4	110	9,7	AZA2	BB	AltaALANZO x AltaJUMP CUT x LIONEL
001H016611 CREED-P	696	3103	633	136	2199	1129	69	0,08	47	0,04	116	20	2,6	2,86	-1	0,5	1,2	1,2	108	9,5	AZA2	BB	DORSEY-P x AltaAZAZLE x RENEGADE
001H016649 BULLPOCALYPSE	691	3183	646	144	3086	717	67	0,14	43	0,07	110	-45	2,8	2,76	-0,4	1	1,3	1,4	98	12,3	AZA2	BB	AltaGADZOOK x NO EXCUSE x REDROCK
001H015810 ZAPPY	669	3065	785	150	3307	769	97	0,24	38	0,05	135	219	1,8	3,01	-1,4	-0,2	-1,5	1	101	2	AZA2	AB	AltaAZAZLE x AltaSOHOT x SAMURI
001H017331 WILDONE	659	3107	531	147	3355	1182	50	0	41	0,01	91	-135	3,3	2,78	0,2	1,8	2,2	1,4	97	10,7	AZA2	AB	VIVIFY x AltaPOWERBUCK x ALTAZAZLE
001H016757 HUXLEY	653	3156	743	130	1906	976	111	0,26	52	0,07	163	57	0,6	3,01	-2	-1,3	-0,2	1,2	104	7,5	AZA2	BB	ZAPPY x HELIX x PURSUIT
001H016646 ZIMMER	649	3060	664	135	2770	1013	47	0,02	47	0,05	94	343	2,7	2,74	-2,2	-1,6	1,7	0,8	101	11,3	AZA2	BB	JALAPENO x INCREDIBLE x PURSUIT
001H015881 NISSANY	624	3055	613	141	3587	2513	68	-0,12	76	-0,02	144	158	-0,7	3,06	-2,8	-1,3	0,6	1	102	7,2	A1A2	AB	AltaPLINKO x MILKTIME x JEDI
001H016834 DYNAMITERAVE	619	3049	594	142	2388	178	52	0,17	31	0,09	83	135	3,1	2,78	-0,5	0,2	0,3	1,3	104	12,2	AZA2	BB	AltaOVERTAKE x AltaPLINKO x SOLUTION
001H017685 SOLOCUP-RED	593	2994	488	129	1694	892	37	0	28	0	65	40	3,4	2,85	1,4	2,2	0,8	1,3	104	12,4	A1A2	AB	GAMEDAY x TRUMPET-RED x CAPTAIN
001H018047 CHECKERS-P-RED	343	3013	326	128	1630	948	41	0,01	36	0,02	77	-209	1,3	3,07	-0,4	-0,5	0,9	1,6	99	9,6	AZA2	AB	EXCLUSIVE-RED x ELEVATOR P *RC x DOC
001H016228 HILBERT-RED	249	2749	260	127	2043	359	35	0,08	20	0,03	55	-174	1,7	2,89	-1,3	-1,9	-1	1,3	100	12,4	A1A2	AB	HELIUM-RED x AltaALTIVE*RC x SALVATORE RC
001H017352 LEX-PP-RED	29	2689	107	123	725	-194	26	0,13	-5	0,01	21	-95	0,8	2,93	-0,4	-1,4	0,4	1,8	100	7,2	AZA2	AB	LAZER-PP-RED x MCDONALD-P-RED x LUSTER-P

Ranking płodności PregCheck™ ≥ 100 (nasienie konwencjonalne)

Ranking płodności PregCheck+™ ≥ 100 (nasienie seksowane)

Bezrożny

# WYCENA NA CÓRKACH



## POWERHOUSE

GenChoice

001HO16089

PEAK POWERHOUSE-ET

HO840M003235932906

Data urodzenia 08/04/2021

Kappa Kazeina AB | Beta Kazeina A2A2

Haplotypy HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW1

Kody genetyczne MW TC TD TL TP TR TV TY

aAa 342 | DMS 234,345 | EFI 13.30%

Aktualna wycena USA-202604

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX

PF 148

IE 3125

### Pokrój

Na podstawie 152 córek w 14 stadach (95% Powt.)

Współczesny Indeks Wymienia	<b>+10.4</b>	
PTAT	<b>+0.09</b>	95% Powt.
UDC	<b>-0.08</b>	
FLC	<b>-0.63</b>	

	-2	-1	0	1	2		
Wzrost						1.2	Wysoki
Budowa						0.1	Mocna
Głębokość						0.6	Głęboka
Typ mleczny						2.0	Lekki
Pochylenie zadu						1.9	Spadzisty
Szerokość zadu						1.2	Szeroki
Tylne nogi z boku						-0.4	Pionowe
Tylne nogi z tyłu						-0.4	Iksowate
Ustawienie racic						-0.4	Płaskie
Lokomocja						-0.3	Niskie
Zaw.przed.wym						-0.4	Wysoki
Wysokość wymienia						0.4	Niski
Szerokość wymienia						1.5	Szerokie
Więzadło						-0.6	Słabe
Głębokość						-0.3	Głęboka
Przednie strzyki						-0.3	Szeroki
Tylne strzyki						-0.5	Szeroki
Długość strzyków						-0.3	Niski

### Rodowód

Ojciec	PEAK WHEELHOUSE-ET
Matka	PEAK LARNACA-ET
O.M.	PEAK ALTAZZLE-ET
M.M.	PEAK LUNAR-ET
O.O.M.	PROGENESIS POSITIVE
M.M.M.	PEAK LAUREATE-ET

### ICC™ Ogólny

+1073

ICC™ Mleko	+800	ICC™ Zdrowie	+930	ICC™ Efektywność	+1044
NM\$	+1029	CM\$	+1075	TPI®	+3448

### Produkcja

Mleko	<b>+1937 Lbs</b>	<b>96% Powt.</b>
Białko	<b>+92 Lbs</b>	<b>+0.10%</b>
Tłuszcz	<b>+113 Lbs</b>	<b>+0.12%</b>
Oszczędność paszy	<b>+69</b>	<b>56% Powt.</b>
RobotX™	<b>104</b>	

### Cechy zdrowotne

Produkcja życiowa	<b>+2.7</b>	Płodność córek	<b>-2.2</b>
Żywność krów	<b>-0.1</b>	Współczynnik zacieleń krów	<b>-1.3</b>
Żywność jałówek	<b>-0.2</b>	Współczynnik zacieleń jałówek	<b>+0.7</b>
Komórki somatyczne	<b>3.06</b>	Zapalenie macicy	<b>1.2%</b>
Prędkość doju	<b>6.8</b>	Przemieszczenie trawieńca	<b>-0.1%</b>
Mastitis	<b>3.3%</b>	Gorączka mleczna	<b>-0.2%</b>
Ketoza	<b>0.1%</b>	Zatrzymanie łożyska	<b>0.0%</b>

### Cechy wycieleń

Łatw. wyc. buhaja	<b>1.1%</b>	<b>95% Powt.</b>	<b>2219 Obs</b>
Łatw. wyc. córek	<b>1.2%</b>	<b>80% Powt.</b>	<b>96 Obs</b>
Przeżywalność buhaja	<b>3.5%</b>	<b>90% Powt.</b>	<b>2205 Obs</b>
Przeżywalność córek	<b>3.7%</b>	<b>78% Powt.</b>	<b>96 Obs</b>

### Płodność buhaja

PregCheck™	<b>100</b>	<b>91% Powt.</b>
PregCheck+™	<b>102</b>	<b>99% Powt.</b>
Współczynnik zacieleń buhaja	<b>-0.7</b>	<b>91% Powt.</b>

# WYCENA NA CÓRKACH

001HO15701 PEAK EMPOWERED-ET

## EMPOWERED

EINSTEIN X DYNASTY X JOSUPER

Ojciec SILVERRIDGE V EINSTEIN

Matka ELM-J DINALEE-ET

GenChoice

PF 134

IE 3160



Data urodzenia: 03.12.2020

HO840M003215425284

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+827		
ICC™ Mleko	+891	ICC™ Zdrowie	+774	ICC™ Efektywność	+865
NM\$	+760	CM\$	+754	TPI*	+3128
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+2107	98% Powt.	Produkcja życiowa	+3.6	
Białko	+56	-0.05%	Żywotność krów	+3.1	
Tłuszcz	+53	-0.12%	Żywotność jałówek	+0.3	
Białko + tłuszcz	+109		Komórki somatyczne	2.78	
Oszczędność paszy	+235		Płodność córek	-1.2	
RobotX™	97		Wsk. zacieleń krów	-0.2	
			Wsk. zacieleń jałówek	+0.0	
<b>Pokrój</b>			<b>Płodność buhaja</b>		
MUI	+9.7		Łatw. wyc. buhaja	1.4%	PregCheck™ 100 97% Powt.
PTAT	+0.17	87% Powt.	Łatw. wyc. córek	1.3%	PregCheck+™ 101 97% Powt.
UDC	+0.59		Przeżywalność buhaja	3.6%	SCR
FLC	-0.41		Przeżywalność córek	4.0%	+2.3

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.3
Budowa	Delikatna	Mocna -0.4
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.2
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.1
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.3
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.1
Tylny nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.0
Tylny nogi z tyłu	Iksowate	Proste -1.0
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.8
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.3
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna -0.7
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.8
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 2.0
Więzadło	Słabe	Mocna 1.4
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.7
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.1
Tylny strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.6
Długość strzyków	Niski	Długie -0.3

001HO16191 PEAK MATTERHORN-ET

## MATTERHORN

MOONRISE X PURSUIT X MEDLEY

Ojciec PEAK MOONRISE

Matka PEAK MAUDIE-ET

GenChoice

PF 141

IE 2787



Data urodzenia: 05.27.2021

HO840M003236692371

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AA

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: B/R TC TD TE TL TP TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+878		
ICC™ Mleko	+703	ICC™ Zdrowie	+835	ICC™ Efektywność	+837
NM\$	+891	CM\$	+912	TPI*	+3218
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+937	98% Powt.	Produkcja życiowa	+4.1	
Białko	+40	+0.03%	Żywotność krów	+2.5	
Tłuszcz	+100	+0.22%	Żywotność jałówek	-0.3	
Białko + tłuszcz	+140		Komórki somatyczne	2.80	
Oszczędność paszy	+84		Płodność córek	-0.6	
RobotX™	96		Wsk. zacieleń krów	+0.0	
			Wsk. zacieleń jałówek	+0.5	
<b>Pokrój</b>			<b>Płodność buhaja</b>		
MUI	+8.3		Łatw. wyc. buhaja	1.0%	PregCheck™ 100 97% Powt.
PTAT	+0.01	89% Powt.	Łatw. wyc. córek	1.1%	PregCheck+™ 98 99% Powt.
UDC	+0.55		Przeżywalność buhaja	3.2%	SCR
FLC	-0.01		Przeżywalność córek	3.7%	+0.1

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.6
Budowa	Delikatna	Mocna -0.2
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.4
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.2
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.6
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.5
Tylny nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.5
Tylny nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.1
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.3
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.2
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.3
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.1
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.2
Więzadło	Słabe	Mocna 0.8
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.3
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.1
Tylny strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.3
Długość strzyków	Niski	Długie -0.4

# WYCENA NA CÓRKACH

001HO15881 PEAK NISSANY-ET

## NISSANY

AltaPLINKO X MILKTIME X JEDI

Ojciec PEAK ALTAPLINKO-ET

Matka PEAK CREAM-ET

GenChoice

PF 141

IE 3587



Data urodzenia: 01.09.2021

HO840M003228352349

99% RHA - I

Beta Kazeina: A1A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+624	
ICC™ Mleko	+641	ICC™ Zdrowie	+495	ICC™ Efektywność	+636
NM\$	+613	CM\$	+613	TPI®	+3055
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+2513	90% Powt.	Produkcja życiowa	-0.7	
Białko	+76	-0.02%	Żywotność krów	-3.7	
Tłuszcz	+68	-0.12%	Żywotność jałówek	-1.3	
Białko + tłuszcz	+144		Komórki somatyczne	3.06	
Oszczędność paszy	+158		Płodność córek	-2.8	
RobotX™	102		Wsk. zacielen krów	-1.3	
			Wsk. zacielen jałówek	+0.6	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+7.2		łatw. wyc. buhaja	1.0%	Płodność buhaja
PTAT	-0.36	86% Powt.	łatw. wyc. córek	1.4%	PregCheck™ 98 51% Powt.
UDC	-0.43		Przeżywalność buhaja	3.5%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
FLC	-0.53		Przeżywalność córek	4.0%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.1
Budowa	Delikatna	Mocna -0.8
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.4
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 1.1
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki -0.1
Tylne nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.3
Tylne nogi z tyłu	Iksowate	Proste -0.6
Ustawienie racic	Płaskie	Stronne -0.7
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.5
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna -0.9
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski -0.2
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.8
Więzadło	Słabe	Mocna -0.7
Głębokość	Głęboka	Płytka -1.3
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.3
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.2
Długość strzyków	Niski	Długie -0.4

001HO15810 PEAK ZAPPY-ET

## ZAPPY

AltaZAZZLE X AltaSOHOT X SAMURI

Ojciec PEAK ALTAZAZZLE-ET

Matka PEAK HIGHHAT 30663-ET

GenChoice

PF 150

IE 3307



Data urodzenia: 11.19.2020

HO840M003213001229

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6C HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+669	
ICC™ Mleko	+473	ICC™ Zdrowie	+592	ICC™ Efektywność	+675
NM\$	+785	CM\$	+806	TPI®	+3065
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+769	98% Powt.	Produkcja życiowa	+1.8	
Białko	+38	+0.05%	Żywotność krów	+0.4	
Tłuszcz	+97	+0.24%	Żywotność jałówek	+0.0	
Białko + tłuszcz	+135		Komórki somatyczne	3.01	
Oszczędność paszy	+219		Płodność córek	-1.4	
RobotX™	101		Wsk. zacielen krów	-0.2	
			Wsk. zacielen jałówek	-1.5	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+2.0		łatw. wyc. buhaja	1.0%	Płodność buhaja
PTAT	+0.16	97% Powt.	łatw. wyc. córek	1.0%	PregCheck™ 102 97% Powt.
UDC	-0.29		Przeżywalność buhaja	3.6%	PregCheck+™ 102 99% Powt.
FLC	-0.49		Przeżywalność córek	3.1%	SCR +0.9

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.7
Budowa	Delikatna	Mocna -0.4
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.8
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 2.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.9
Tylne nogi z boku	Pionowe	Łukowate 1.0
Tylne nogi z tyłu	Iksowate	Proste -0.8
Ustawienie racic	Płaskie	Stronne -0.2
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.1
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.9
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski -1.3
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie -0.7
Więzadło	Słabe	Mocna 0.4
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.6
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.3
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.0
Długość strzyków	Niski	Długie -1.0

# Nie tylko zarządzasz stadem. **Ty je budujesz.**

Każdy wybór buhaja, każda decyzja genetyczna i każde zaplanowane kojarzenie mają znaczenie. Ich efekty widzisz w cielętkach, w krowach oraz w ilości mleka trafiającego do zbiornika. Widzisz je w wydajności stada, jego żywotności i w tym, jak dobrze odpowiada ono potrzebom Twojego gospodarstwa. Te wyniki nie są dziełem przypadku - są odzwierciedleniem tego, jak decyzje genetyczne wspierają tworzenie dokładnie takich krow, jakich oczekujesz.

W genetyce celem jest stworzenie krow, które przynoszą realną rentowność - zwierząt płodnych, zdrowych, efektywnie wykorzystujących paszę i utrzymujących wysoką produkcję przez wiele laktacji. Indeksy GENEX ICC™ stanowią narzędzie, które pomaga konsekwentnie budować takie stado, umożliwiając optymalne zrównoważenie produkcji, rozrodu, zdrowotności, długowieczności i efektywności - zgodnie z priorytetami Twojej hodowli.



## **Cztery indeksy. Jeden fundament.**

Indeks ICC™ został oparty na fundamencie zrównoważonej genetyki, ukierunkowanej na rentowność produkcji. Dziś ten fundament rozwija się w cztery odrębne indeksy ICC™, z których każdy kładzie akcent, na niego inne cechy. Daje Ci to realny wybór i pomaga jeszcze lepiej dopasować strategię genetyczną do rynku mleka, mocnych stron i luk genetycznych Twojego stada oraz długoterminowych celów hodowlanych.

Wskaźniki zostały opracowane w oparciu o opinie hodowców, tak aby odzwierciedlały rzeczywiste potrzeby hodowli, a każdy z nich został zweryfikowany na próbie 45 000 krow poddanych badaniom genomowym w nowoczesnych gospodarstwach, aby zapewnić zgodność przewidywanego postępu genetycznego z rzeczywistymi wynikami.

Więcej informacji o każdym z indeksów ICC™ znajdziesz na kolejnych stronach.

**ICC™**

Ogólny

**Stworzony z myślą  
o zrównoważonej  
genetyce.**

**ICC™**

Mleko

**Zaprojektowany,  
by maksymalizować  
produkcję mleka w  
całym cyklu życia krowy.**

**ICC™**

Zdrowie

**Skoncentrowany na  
zdrowiu i płodności.**

**ICC™**

Efektywność

**Nastawiony na  
poprawę efektywności  
i obniżenie kosztów  
produkcji.**

Twoje stado jest częścią  
Twojego dziedzictwa.

**Buduj je świadomie.**

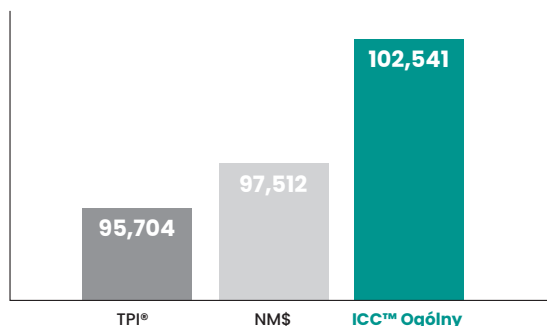
## Stworzony z myślą o zrównoważeniu wskaźnika ECM w całym okresie życia, zdrowia, rozrodu i wydajności.

W indeksie ICC<sup>™</sup> Ogólnym równowaga nie jest kompromisem. Jest strategią. To celowo zaprojektowane narzędzie wspierające postęp genetyczny w zakresie zdrowia, płodności, długowieczności i efektywności, przy jednoczesnym osiągnięciu wyższej dożywotniej produkcji mleka skorygowanej na energię (ECM) niż w przypadku innych indeksów (Wykres 1).

Zrównoważony postęp przekłada się również na lepsze zdrowie - niższą liczbę komórek somatycznych oraz mniejszą liczbę przypadków mastitis i metritis - co pozwala krowom pozostać zdrowymi i produktywnymi przez dłuższy czas. Jednocześnie wyższa płodność samic oznacza mniej inseminacji i więcej krow, które terminowo osiągną czwartą laktację.

Rezultatem jest rentowność pod każdym względem: wyższa dożywotnia produkcja ECM, niższe koszty zdrowotne, niższe koszty rozrodu oraz większa długowieczność. Tak właśnie działa strategia indeksu ICC<sup>™</sup> Ogólnego.

Wykres 1. Średnia dożywotnia produkcja mleka skorygowanego na energię (ECM)



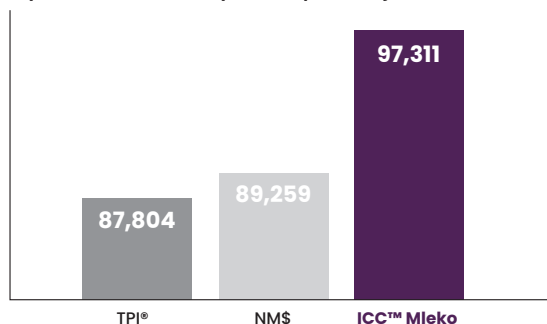
## Stworzony, aby maksymalizować dożywotnią produkcję mleka.

Indeks ICC<sup>™</sup> Mleko przewyższa inne indeksy selekcyjne pod względem całkowitej ilości mleka wyprodukowanego przez krowę w ciągu jej życia (Wykres 2), co czyni go idealnym wyborem dla producentów działających na rynku mleka.

Większa ilość mleka nie musi jednak oznaczać rezygnacji z innych kluczowych cech. Indeks ICC<sup>™</sup> Mleko zachowuje bardzo dobre wyniki w zakresie cech zdrowotnych, które zapewniają sprawne i stabilne funkcjonowanie stada. Ta równowaga obejmuje również płodność - krowy wymagają mniejszej liczby inseminacji, a więcej z nich terminowo osiąga czwartą laktację. Oznacza to, że krowy selekjonowane na wyższą produkcję są jednocześnie tworzone tak, aby pozostawać w stadzie wystarczająco długo i realnie zrealizować swój potencjał.

W efekcie otrzymujemy stado, które w ciągu całego życia dostarcza więcej mleka, nie tracąc przy tym na zdrowiu, płodności i długowieczności, które są warunkiem jego zrównoważonego rozwoju.

Wykres 2. Średnia dożywotnia produkcja mleka w lbs



\*Analiza została przeprowadzona na stadzie walidacyjnym obejmującym 45 000 krow zgenotypowanych, posiadających kompletne dane dotyczące wyników produkcyjnych z całego okresu użytkowania. W przypadku każdego indeksu krowy zostały uszeregowane według wartości indeksu genomowego, a następnie wyodrębniono górne 25% populacji (najwyższy kwartył). Słupki na wykresach przedstawiają średnią rzeczywistą produkcję krow z najwyższego kwartyłu dla każdego indeksu.

### Zbudowany z naciskiem na zdrowie i płodność.

Indeks ICC<sup>™</sup> Zdrowie pomaga wyprzedzać problemy zdrowotne, które często w cichy sposób obniżają rentowność produkcji. Silniejszy nacisk na liczbę komórek somatycznych (SCS), mastitis oraz długowieczność przekłada się na krowy z mniejszą liczbą problemów w okresie okołoporodowym, niższą liczbą SCC i zdrowszym wymieniem (Tabela 1). Innymi słowy - indeks ten tworzy krowy zdrowsze, wymagające mniej interwencji.

Zdrowsze krowy nie tylko pozostają w stadzie dłużej, ale także realizują harmonogram rozrodu. Mniej problemów zdrowotnych oznacza lepszą skuteczność zacień oraz szybsze osiągnięcie kolejnych laktacji - a to właśnie tam buduje się prawdziwa wartość krowy.

Indeks ICC<sup>™</sup> Zdrowie zapewnia tę przewagę zdrowotną bez rezygnacji z produkcji. Opierając się na zrównoważonych fundamentach ICC<sup>™</sup>, tworzy on stada, w których zdrowie, płodność i wydajność współdziałają, prowadząc do długoterminowej rentowności.

Tabela 1. Średnie wartości najwyższego kwartyłu według indeksu - zdrowie i produkcja\*

	TPI®	NM\$	ICC <sup>™</sup> Zdrowie
% występowania mastitis	9.03	9.75	7.9
Średnia LGSCC	1.75	1.79	1.67
% występowania metritis	14.0	14.2	13.8
% krów osiagających 4. laktację do 1095. dnia	10.4	10.7	12.9
Średnia dożywnia produkcja ECM (lbs)	95,704	97,512	102,604

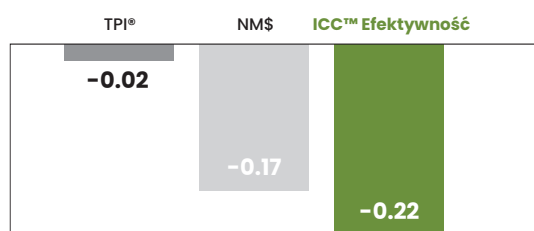
### Stworzony by zwiększać efektywność i ograniczać nakład kosztów.

ICC<sup>™</sup> Efektywność to nowoczesny indeks przeznaczony dla gospodarstw mlecznych, które chcą produkować więcej, jednocześnie wydając mniej. Większy nacisk na resztkowe pobranie paszy (RFI) pozwala selekcjonować krowy, które efektywniej przekształcają paszę w mleko - pomagając obniżyć koszty żywienia i wspierać bardziej zrównoważone wykorzystanie zasobów.

Wybór efektywności nie oznacza jednak kompromisu w produkcji. Indeks ICC<sup>™</sup> Efektywność przewyższa TPI® oraz NM\$ pod względem dożywnia produkcji ECM, głównie dzięki lepszej długowieczności i przeżywalności krów. Mówiąc prościej - krowy, które dłużej pozostają w stadzie i skutecznie się zacielają, są po prostu bardziej rentowne.

Zbudowany na fundamentach zrównoważonej krowy ICC<sup>™</sup>, indeks ICC<sup>™</sup> Efektywność tworzy zwierzęta, które pozwalają lepiej wykorzystać nakłady: efektywniej przetwarzają paszę, wymagają mniejszej liczby remontów stada i zapewniają długowieczność, która napędza długoterminową rentowność

Wykres 3. Oczekiwana odpowiedź selekcyjna w odniesieniu do resztkowego pobrania paszy (RFI)



Ujemna wartość RFI oznacza, że zwierzęta pobierają mniej paszy, niż wynikałoby to z ich potrzeb. Im bardziej ujemna odpowiedź genetyczna na selekcję, tym silniej genetyka sprzyja zmniejszonemu zapotrzebowaniu na paszę przy tej samej produkcji mleka.

### Nie wiesz, który indeks ICC<sup>™</sup> będzie najlepszy dla Ciebie?

Twój przedstawiciel GENEX pomoże dobrać odpowiedni indeks do rynku mleka, profilu genetycznego Twojego stada oraz Twoich długoterminowych celów hodowlanych.

# WYCENA GENOMOWA

001HO16794 PEAK AMETHYST-ET

## AMETHYST

MOMENTO X AltaWHEELHOUSE X LIONEL

Ojciec PEAK MOMENTO-ET

Matka PEAK ASTRA-ET

GenChoice

PF 139

IE 2561



Data urodzenia: 01.18.2023  
 HOB40M003252198455  
 99% RHA - I  
 Beta Kazeina: A2A2  
 Kappa Kazeina: AB  
 Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0  
 Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+981		
ICC™ Mleko	+842	ICC™ Zdrowie	+914	ICC™ Efektywność	+935
NM\$	+902	CM\$	+920	TPI*	+3312
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+1265	81% Powt.	Produkcja życiowa	+4.3	
Białko	+47	+0.02%	Żywotność krów	+0.2	
Tłuszcz	+98	+0.17%	Żywotność jałówek	-0.2	
Białko + tłuszcz	+145		Komórki somatyczne	2.76	
Oszczędność paszy	+111		Płodność córek	-0.5	
RobotX™	102		Wsk. zacielen krów	+1.3	
			Wsk. zacielen jałówek	+3.7	
<b>Pokrój</b>			<b>Płodność buhaja</b>		
MUI	+12.8		Łatw. wyc. buhaja	1.6%	PregCheck™ 102 43% Powt.
PTAT	+0.55	80% Powt.	Łatw. wyc. córek	1.8%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
UDC	+1.12		Przeżywalność buhaja	4.2%	SCR N/A
FLC	-0.64		Przeżywalność córek	3.7%	

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.2
Budowa	Delikatna	Mocna -0.3
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.6
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.0
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.7
Tylnie nogi z tyłu	Ikswate	Proste -0.8
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.7
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.6
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.9
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.0
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.7
Więzadło	Słabe	Mocna 0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.8
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.3
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.6
Długość strzyków	Niski	Długie -0.2

001HO17148 T-SPRUCE PEAK BEEZER-ET

## BEEZER

OLYMPUS X TAOS X LIONEL

Ojciec PEAK OLYMPUS-ET

Matka T-SPRUCE TAOS 15384-ET

GenChoice

PF 140

IE 2505



Data urodzenia: 08.28.2023  
 HOB40M003272622397  
 99% RHA - I  
 Beta Kazeina: A2A2  
 Kappa Kazeina: AB  
 Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0  
 Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+833		
ICC™ Mleko	+639	ICC™ Zdrowie	+712	ICC™ Efektywność	+790
NM\$	+822	CM\$	+848	TPI*	+3266
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+1456	81% Powt.	Produkcja życiowa	+2.2	
Białko	+62	+0.05%	Żywotność krów	-2.5	
Tłuszcz	+105	+0.16%	Żywotność jałówek	+0.0	
Białko + tłuszcz	+167		Komórki somatyczne	2.95	
Oszczędność paszy	+12		Płodność córek	-2.5	
RobotX™	105		Wsk. zacielen krów	-0.7	
			Wsk. zacielen jałówek	+0.7	
<b>Pokrój</b>			<b>Płodność buhaja</b>		
MUI	+12.3		Łatw. wyc. buhaja	0.8%	PregCheck™ N/A N/A Powt.
PTAT	+0.75	80% Powt.	Łatw. wyc. córek	1.5%	PregCheck+™ 101 88% Powt.
UDC	+0.62		Przeżywalność buhaja	3.6%	SCR N/A
FLC	-0.23		Przeżywalność córek	3.2%	

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.6
Budowa	Delikatna	Mocna 0.2
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.4
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.4
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.9
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.3
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.7
Tylnie nogi z tyłu	Ikswate	Proste -0.2
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.5
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.0
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.7
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.8
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.5
Więzadło	Słabe	Mocna 0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.1
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.8
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.8
Długość strzyków	Niski	Długie 0.1

# WYCENA GENOMOWA

001HO17246 PEAK BREEZYBANDIT-ET

## BREEZYBANDIT

MASTERPIECE X AltaWHEELHOUSE X LIONEL

Ojciec PEAK MASTERPIECE-ET

Matka PEAK ASTRA-ET

GenChoice ~

PF 138

IE 2305



Data urodzenia: 11.01.2023  
HO840M003263438428  
99% RHA - I  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: AB  
Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0  
Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+809	
ICC™ Mleko	+535	ICC™ Zdrowie	+695	ICC™ Efektywność	+761
NM\$	+872	CM\$	+904	TPI*	+3319
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+930	80% Powt.	Produkcja życiowa	+1.5	
Białko	+50	+0.07%	Żywotność krów	-1.9	
Tłuszcz	+126	+0.32%	Żywotność jałówek	-0.3	
Białko + tłuszcz	+176		Komórki somatyczne	2.95	
Oszczędność paszy	+30		Płodność córek	-1.8	
RobotX™	99		Wsk. zacieleń krów	-0.2	
			Wsk. zacieleń jałówek	+1.8	
Pokrój		Cechy wycieleń		Płodność buhaja	
MUI	+11.0	łatw. wyc. buhaja	1.0%	PregCheck™	103 49% Powt.
PTAT	+1.13	łatw. wyc. córek	1.3%	PregCheck+™	N/A N/A Powt.
UDC	+0.98	Przeżywalność buhaja	3.8%	SCR	N/A
FLC	-0.35	Przeżywalność córek	3.5%		

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.7
Budowa	Delikatna	Mocna 0.4
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.6
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.6
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.1
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.6
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.3
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -0.4
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.2
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.1
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.7
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.3
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 2.3
Więzadło	Słabe	Mocna 0.9
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.2
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.8
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.1
Długość strzyków	Niski	Długie -0.6

001HO16649 PEAK BULLPOCALYPSE-ET

## BULLPOCALYPSE

AltaGADZOOK X NO EXCUSE X REDROCK

Ojciec PEAK ALTAGADZOOK-ET

Matka PEAK 46013-ET

GenChoice ~

PF 144

IE 3086



Data urodzenia: 05.24.2022  
HO840M003247843699  
99% RHA - I  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: BB  
Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0  
Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+691	
ICC™ Mleko	+499	ICC™ Zdrowie	+645	ICC™ Efektywność	+641
NM\$	+646	CM\$	+681	TPI*	+3183
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+717	81% Powt.	Produkcja życiowa	+2.8	
Białko	+43	+0.07%	Żywotność krów	+0.7	
Tłuszcz	+67	+0.14%	Żywotność jałówek	+0.0	
Białko + tłuszcz	+110		Komórki somatyczne	2.76	
Oszczędność paszy	-45		Płodność córek	-0.4	
RobotX™	98		Wsk. zacieleń krów	+1.0	
			Wsk. zacieleń jałówek	+1.3	
Pokrój		Cechy wycieleń		Płodność buhaja	
MUI	+12.3	łatw. wyc. buhaja	1.4%	PregCheck™	N/A N/A Powt.
PTAT	+1.16	łatw. wyc. córek	1.5%	PregCheck+™	N/A N/A Powt.
UDC	+1.10	Przeżywalność buhaja	3.5%	SCR	N/A
FLC	-0.56	Przeżywalność córek	2.6%		

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 1.3
Budowa	Delikatna	Mocna 0.4
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.0
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.5
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.4
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.3
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -0.6
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.3
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.2
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 1.8
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.3
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.4
Więzadło	Słabe	Mocna 0.5
Głębokość	Głęboka	Płytka 1.4
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.3
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.3
Długość strzyków	Niski	Długie 0.2

# WYCENA GENOMOWA

001HO18047 SUNQUEST CHECKERS-P-RED-ET

## CHECKERS-P-RED

EXCLUSIVE-RED X ELEVATOR P \*RC X DOC

Ojciec TRENT-WAY EXCLUSIVE-RED-ET

Matka SCENERY-VIEW CHARO-RED-ET

GenChoice ~

PF 128

IE 1630



Data urodzenia: 11.12.2024

HO840M003274841638

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: PC PO TC TD TE TL TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+343	
ICC™ Mleko	+283	ICC™ Zdrowie	+281	ICC™ Efektywność	+315
NM\$	+326	CM\$	+335	TPI*	+3013
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+948	79% Powt.	Produkcja życiowa	+1.3	
Białko	+36	+0.02%	Żywotność krów	-1.4	
Tłuszcz	+41	+0.01%	Żywotność jałówek	+0.9	
Białko + tłuszcz	+77		Komórki somatyczne	3.07	
Oszczędność paszy	-209		Płodność córek	-0.4	
RobotX™	99		Wsk. zacieleń krów	-0.5	
			Wsk. zacieleń jałówek	+0.9	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+9.6		łatw. wyc. buhaja	1.6%	PregCheck™ N/A N/A Powt.
PTAT	+2.43	79% Powt.	łatw. wyc. córek	2.0%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
UDC	+1.42		Przeżywalność buhaja	3.8%	SCR N/A
FLC	+0.60		Przeżywalność córek	3.6%	

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 3.0
Budowa	Delikatna	Mocna 1.4
Głębokość	Płytka	Głęboka 2.0
Typ mleczny	Mocny	Lekki 2.6
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 2.1
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 2.4
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 1.5
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.8
Lokomocja	Niskie	Wysokie 1.3
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 1.6
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 2.7
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 2.8
Więzadło	Słabe	Mocna 1.5
Głębokość	Głęboka	Płytka 1.1
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.9
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.1
Długość strzyków	Niski	Długie 0.6

001HO16922 PEAK CONQUER-PP-ET

## CONQUER-PP

SPLENDIDO-P X DORSEY-P X AltaZZAZZLE

Ojciec WINSTAR SPLENDIDO-P-ET

Matka PEAK CARDI B-P-ET

GenChoice ~

PF 134

IE 2499



Data urodzenia: 05.05.2023

HO840M003251556042

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: PP TC TD TE TL TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+753	
ICC™ Mleko	+686	ICC™ Zdrowie	+711	ICC™ Efektywność	+773
NM\$	+794	CM\$	+798	TPI*	+3013
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+1057	81% Powt.	Produkcja życiowa	+3.0	
Białko	+32	-0.01%	Żywotność krów	+1.9	
Tłuszcz	+77	+0.12%	Żywotność jałówek	-0.8	
Białko + tłuszcz	+109		Komórki somatyczne	2.83	
Oszczędność paszy	+400		Płodność córek	-1.4	
RobotX™	108		Wsk. zacieleń krów	+0.3	
			Wsk. zacieleń jałówek	+0.3	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+6.9		łatw. wyc. buhaja	1.2%	PregCheck™ 99 78% Powt.
PTAT	-0.16	80% Powt.	łatw. wyc. córek	1.7%	PregCheck+™ 103 93% Powt.
UDC	-0.17		Przeżywalność buhaja	3.6%	SCR -0.3
FLC	-0.45		Przeżywalność córek	3.5%	

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.6
Budowa	Delikatna	Mocna -1.1
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.6
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.2
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 1.1
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.0
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 1.0
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -0.8
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.8
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.4
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna -0.4
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.1
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.1
Więzadło	Słabe	Mocna -0.9
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.4
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.8
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.7
Długość strzyków	Niski	Długie -0.3

# WYCENA GENOMOWA

001HO16611 PEAK CREED-P-ET

## CREED-P

DORSEY-P X AltaZAZZLE X RENEGADE

Ojciec FB DORSEY-P-ET

Matka PINE-TREE CLUTCH-ET

GenChoice ~

PF 136  
IE 2199



Data urodzenia: 09.01.2022  
HO840M003252778553  
99% RHA - I  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: BB  
Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6C HMW0  
Kody genetyczne: PC TC TD TE TL TR TY TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+696		
ICC™ Mleko	+571	ICC™ Zdrowie	+650	ICC™ Efektywność	+655
NM\$	+633	CM\$	+654	TPI*	+3103
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+1129	81% Powt.	Produkcja życiowa	+2.6	
Białko	+47	+0.04%	Żywotność krów	-0.6	
Tłuszcz	+69	+0.08%	Żywotność jałówek	-1.3	
Białko + tłuszcz	+116		Komórki somatyczne	2.86	
Oszczędność paszy	+20		Płodność córek	-1.0	
RobotX™	108		Wsk. zacieleń krów	+0.5	
			Wsk. zacieleń jałówek	+1.2	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+9.5		łatw. wyc. buhaja	1.2%	Płodność buhaja
PTAT	+0.46	79% Powt.	łatw. wyc. córek	1.5%	PregCheck™ 101 92% Powt.
UDC	+0.14		Przeżywalność buhaja	3.7%	PregCheck+™ 99 96% Powt.
FLC	+0.09		Przeżywalność córek	3.7%	SCR +0.5

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.7
Budowa	Delikatna	Mocna -0.1
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.1
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.8
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 1.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.2
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.5
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.2
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.1
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.3
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.6
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.2
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.2
Więzadło	Słabe	Mocna -0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.8
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.1
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.5
Długość strzyków	Niski	Długie -0.3

001HO17016 PEAK CRUSHPROOF-ET

## CRUSHPROOF

ACHIEVE X EXTREMO X YIS

Ojciec PEAK ACHIEVE

Matka PEAK-I LORE-ET

GenChoice ~

PF 140  
IE 3068



Data urodzenia: 07.11.2023  
HO840M003251556175  
99% RHA - I  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: AB  
Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0  
Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TY TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+961		
ICC™ Mleko	+747	ICC™ Zdrowie	+892	ICC™ Efektywność	+925
NM\$	+945	CM\$	+974	TPI*	+3285
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+1111	81% Powt.	Produkcja życiowa	+3.5	
Białko	+50	+0.05%	Żywotność krów	-0.5	
Tłuszcz	+113	+0.24%	Żywotność jałówek	+0.2	
Białko + tłuszcz	+163		Komórki somatyczne	2.71	
Oszczędność paszy	+97		Płodność córek	-1.6	
RobotX™	104		Wsk. zacieleń krów	+0.2	
			Wsk. zacieleń jałówek	+3.0	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+12.7		łatw. wyc. buhaja	1.4%	Płodność buhaja
PTAT	+0.23	80% Powt.	łatw. wyc. córek	1.7%	PregCheck™ 100 91% Powt.
UDC	+0.49		Przeżywalność buhaja	3.5%	PregCheck+™ 101 99% Powt.
FLC	-1.18		Przeżywalność córek	3.4%	SCR +1.5

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.3
Budowa	Delikatna	Mocna 0.2
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.1
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.3
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.1
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.3
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.2
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -1.7
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.9
Lokomocja	Niskie	Wysokie -1.0
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.5
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.0
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.2
Więzadło	Słabe	Mocna -0.7
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.4
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.4
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.3
Długość strzyków	Niski	Długie 0.1

# WYCENA GENOMOWA

001HO17238 PEAK DIBLEDABLE-ET

## DIBLEDABLE

VIVIFY X AltaKEVLOW X PURSUIT

Ojciec PROGGENESIS VIVIFY-ET

Matka PEAK MELROSE-ET

GenChoice

PF 152

IE 3494



Data urodzenia: 10.09.2023

HO840M003269405299

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+789		
ICC™ Mleko	+613	ICC™ Zdrowie	+809	ICC™ Efektywność	+694
NM\$	+645	CM\$	+679	TPI*	+3170
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+554	79% Powt.	Produkcja życiowa	+4.7	
Białko	+34	+0.06%	Żywotność krów	-0.2	
Tłuszcz	+67	+0.16%	Żywotność jałówek	+0.1	
Białko + tłuszcz	+101		Komórki somatyczne	2.58	
Oszczędność paszy	-144		Płodność córek	+1.0	
RobotX™	99		Wsk. zacieleń krów	+2.7	
			Wsk. zacieleń jałówek	+3.0	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+9.7		łatw. wyc. buhaja	1.5%	Płodność buhaja
PTAT	+0.32	78% Powt.	łatw. wyc. córek	1.5%	PregCheck™ N/A N/A Powt.
UDC	+0.64		Przeżywalność buhaja	3.8%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
FLC	-0.05		Przeżywalność córek	3.6%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.4
Budowa	Delikatna	Mocna -0.2
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.7
Typ mleczny	Mocny	Lekki -0.6
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.8
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.6
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate -1.5
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.2
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.9
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.0
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 1.0
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.2
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.4
Więzadło	Słabe	Mocna 0.5
Głębokość	Głęboka	Płytka 1.5
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.1
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.2
Długość strzyków	Niski	Długie 0.1

001HO16834 PEAK DYNAMITERAVE-ET

## DYNAMITERAVE

AltaOVERTAKE X AltaPLINKO X SOLUTION

Ojciec LADYS-MANOR ALTAOVERTAKE-ET

Matka PEAK 83723-ET

PF 142

IE 2388



Data urodzenia: 08.27.2022

HO840M003251555539

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: BB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+619		
ICC™ Mleko	+401	ICC™ Zdrowie	+583	ICC™ Efektywność	+557
NM\$	+594	CM\$	+634	TPI*	+3049
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+178	81% Powt.	Produkcja życiowa	+3.1	
Białko	+31	+0.09%	Żywotność krów	+1.5	
Tłuszcz	+52	+0.17%	Żywotność jałówek	-0.4	
Białko + tłuszcz	+83		Komórki somatyczne	2.78	
Oszczędność paszy	+135		Płodność córek	-0.5	
RobotX™	104		Wsk. zacieleń krów	+0.2	
			Wsk. zacieleń jałówek	+0.3	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+12.2		łatw. wyc. buhaja	1.3%	Płodność buhaja
PTAT	+0.55	81% Powt.	łatw. wyc. córek	1.4%	PregCheck™ 100 90% Powt.
UDC	+0.99		Przeżywalność buhaja	3.4%	PregCheck+™ 102 98% Powt.
FLC	+0.31		Przeżywalność córek	2.6%	SCR +0.8

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.4
Budowa	Delikatna	Mocna -1.1
Głębokość	Płytka	Głęboka -1.1
Typ mleczny	Mocny	Lekki -0.1
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 1.0
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.3
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.9
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.1
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.5
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.3
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 1.0
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.1
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.8
Więzadło	Słabe	Mocna 0.4
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.8
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.3
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.5
Długość strzyków	Niski	Długie 0.3

# WYCENA GENOMOWA

001HO17082 COOKIECUTTER PEAK FARGO-ET

## FARGO

ACHIEVE X MOONSHINER X ACURA

Ojciec PEAK ACHIEVE

Matka COOKIECUTTER MSHINR HEIRAID

GenChoice ~

PF 133

IE 2377



Data urodzenia: 05.31.2023

HO840M003269404787

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+877	
ICC™ Mleko	+730	ICC™ Zdrowie	+817	ICC™ Efektywność	+887
NM\$	+790	CM\$	+810	TPI*	+3155
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+962	82% Powt.	Produkcja życiowa	+3.7	
Białko	+41	+0.03%	Żywotność krów	+0.2	
Tłuszcz	+82	+0.15%	Żywotność jałówek	+0.2	
Białko + tłuszcz	+123		Komórki somatyczne	2.84	
Oszczędność paszy	+177		Płodność córek	-0.3	
RobotX™	105		Wsk. zacieleń krów	+1.8	
			Wsk. zacieleń jałówek	+2.9	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+12.0		łatw. wyc. buhaja	1.2%	Płodność buhaja
PTAT	+0.21	81% Powt.	łatw. wyc. córek	1.9%	PregCheck™ 106 54% Powt.
UDC	+0.49		Przeżywalność buhaja	3.8%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
FLC	-0.85		Przeżywalność córek	4.4%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.5
Budowa	Delikatna	Mocna 0.3
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.1
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.1
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.3
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.3
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.1
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -1.4
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.5
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.8
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.3
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.6
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.1
Więzadło	Słabe	Mocna -0.2
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.5
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.1
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.7
Długość strzyków	Niski	Długie -0.1

001HO17636 PEAK HARDBALL-ET

## HARDBALL

EXCITEMENT X AltaWOODSIDE X AltaMAGNIFIQUE

Ojciec PEAK EXCITEMENT-ET

Matka PEAK MEGALIGHT-ET

GenChoice ~

PF 143

IE 2632



Data urodzenia: 07.27.2024

HO840M003283240072

99% RHA - I

Beta Kazeina: A1A2

Kappa Kazeina: BB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny				+869	
ICC™ Mleko	+668	ICC™ Zdrowie	+813	ICC™ Efektywność	+873
NM\$	+792	CM\$	+829	TPI*	+3303
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+858	79% Powt.	Produkcja życiowa	+4.3	
Białko	+48	+0.07%	Żywotność krów	+0.2	
Tłuszcz	+75	+0.15%	Żywotność jałówek	-0.5	
Białko + tłuszcz	+123		Komórki somatyczne	2.75	
Oszczędność paszy	+94		Płodność córek	-0.5	
RobotX™	104		Wsk. zacieleń krów	+0.3	
			Wsk. zacieleń jałówek	+2.5	
<b>Pokrój</b>			<b>Cechy wycieleń</b>		
MUI	+12.5		łatw. wyc. buhaja	1.0%	Płodność buhaja
PTAT	+1.20	78% Powt.	łatw. wyc. córek	1.3%	PregCheck™ 99 43% Powt.
UDC	+1.17		Przeżywalność buhaja	3.7%	PregCheck+™ 98 75% Powt.
FLC	+0.49		Przeżywalność córek	3.5%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.3
Budowa	Delikatna	Mocna 0.7
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.4
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.4
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.3
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.0
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.6
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.6
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.5
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 1.4
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.4
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 2.1
Więzadło	Słabe	Mocna 0.0
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.5
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.9
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.5
Długość strzyków	Niski	Długie -0.4

# WYCENA GENOMOWA



## FORE

001HO17764  
PEAK FORE-ET  
HO840M003292511288

GenChoice

Data urodzenia 10/24/2024

Kappa Kazeina AB | Beta Kazeina A2A2

Haplotypy HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F  
HMWI

Kody genetyczne MW TC TD TL TP TR TV TY

aAa | DMS 561,456 | EFI 14.20%

Aktualna wycena USA-202604

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX

PF 149

IE 3391

### Pokrój

Na podstawie - córki w - stada (79% Powt.)

Współczesny Indeks Wymienia	+12.6	
PTAT	+0.89	79% Powt.
UDC	+0.52	
FLC	+0.46	

	-2	-1	0	1	2		
Wzrost						0.5	Wysoki
Budowa						0.9	Mocna
Głębokość						0.9	Głęboka
Typ mleczny						0.8	Lekki
Pochylenie zadu						-0.5	Uniesiony
Szerokość zadu						1.2	Szeroki
Tylne nogi z boku						0.1	Łukowate
Tylne nogi z tyłu						0.7	Proste
Ustawienie racic						0.6	Strome
Lokomocja						0.5	Wysokie
Zaw.przed.wym						1.0	Mocna
Wysokość wymienia						0.9	Niski
Szerokość wymienia						1.4	Szerokie
Więzadło						-0.7	Słabe
Głębokość						0.2	Płytka
Przednie strzyki						-0.3	Szeroki
Tylne strzyki						-0.6	Szeroki
Długość strzyków						0.3	Długie

### Rodowód

Ojciec	PEAK CH ALTAINSPIRE-ET
Matka	PEAK ASPEN-ET
O.M.	PEAK ALTAJANUS-ET
M.M.	PEAK ASTRA-ET
O.O.M.	PEAK WHEELHOUSE-ET
M.M.M.	WINSTAR ASTRID-ET

### ICC™ Ogólny

+1007

ICC™ Mleko	+753	ICC™ Zdrowie	+949	ICC™ Efektywność	+971
NM\$	+943	CM\$	+982	TPI®	+3400

### Produkcja

Mleko	+923 Lbs	78% Powt.
Białko	+52 Lbs	+0.08%
Tłuszcz	+104 Lbs	+0.24%
Oszczędność paszy	-4	47% Powt.
RobotX™	107	

### Cechy zdrowotne

Produkcja życiowa	+4.5	Płodność córek	-0.3
Żywność krów	+1.7	Współczynnik zacieleń krów	+1.2
Żywność jałówek	+0.5	Współczynnik zacieleń jałówek	+2.7
Komórki somatyczne	2.75	Zapalenie macicy	1.6%
Prędkość doju	6.8	Przemieszczenie trawienia	0.1%
Mastitis	3.8%	Gorączka mleczna	0.0%
Ketoza	0.1%	Zatrzymanie łożyska	0.6%

### Cechy wycieleń

Łatw. wyc. buhaja	1.5%	62% Powt.	0 Obs
Łatw. wyc. córek	1.8%	57% Powt.	0 Obs 0 cór.
Przeżywalność buhaja	3.9%	59% Powt.	0 Obs
Przeżywalność córek	3.7%	56% Powt.	0 Obs 0 cór.

### Płodność buhaja

PregCheck™	N/A	N/A Powt.
PregCheck+™	N/A	N/A Powt.
Współczynnik zacieleń buhaja	N/A	N/A Powt.

# WYCENA GENOMOWA



## GLOWUP

001HO17864  
PEAK GLOWUP-ET  
HO840M003290470384

GenChoice™

Data urodzenia 12/29/2024

Kappa Kazeina AB | Beta Kazeina A2A2

Haplotypy HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F  
HMW0

Kody genetyczne TC TD TE TL TP TR TV TY

aAa 351 | DMS 345,135 | EFI 13.20%

Aktualna wycena USA-202604

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX

PF **brak**  
IE **brak**

### Pokrój

Na podstawie - córki w - stada (78% Powt.)

Współczesny Indeks Wymienia	<b>+9.9</b>	
PTAT	<b>+0.41</b>	78% Powt.
UDC	<b>+0.00</b>	
FLC	<b>+0.07</b>	

	-2	-1	0	1	2		
Wzrost						0.1	Wysoki
Budowa						1.0	Mocna
Głębokość						0.7	Głęboka
Typ mleczny						0.4	Lekki
Pochylenie zadu						-0.4	Uniesiony
Szerokość zadu						0.4	Szeroki
Tylne nogi z boku						0.3	Łukowate
Tylne nogi z tyłu						0.0	Proste
Ustawienie racic						0.2	Strome
Lokomocja						0.1	Wysokie
Zaw.przed.wym						0.5	Mocna
Wysokość wymienia						-0.1	Płaskie
Szerokość wymienia						0.7	Szerokie
Więzadło						-0.8	Słabe
Głębokość						-0.4	Głęboka
Przednie strzyki						0.1	Zbieżne
Tylne strzyki						-0.4	Szeroki
Długość strzyków						0.2	Długie

### Rodowód

Ojciec	PEAK CH ALTAINSPIRE-ET
Matka	PEAK PRECIOUS-ET
O.M.	PEAK ACHIEVE
M.M.	PEAK PROMISE-ET
O.O.M.	PEAK ZILLION-ET
M.M.M.	PEAK MAUDIE-ET

### ICC™ Ogólny

+1130

ICC™ Mleko	+792	ICC™ Zdrowie	+1078	ICC™ Efektywność	+1107
NM\$	+1040	CM\$	+1096	TPI®	+3438

### Produkcja

Mleko	<b>+659 Lbs</b>	<b>79% Powt.</b>
Białko	<b>+55 Lbs</b>	<b>+0.12%</b>
Tłuszcz	<b>+110 Lbs</b>	<b>+0.31%</b>
Oszczędność paszy	<b>+49</b>	<b>47% Powt.</b>
RobotX™	<b>105</b>	

### Cechy zdrowotne

Produkcja życiowa	<b>+5.2</b>	Płodność córek	<b>+0.0</b>
Żywność krów	<b>+2.3</b>	Współczynnik zacieleń krów	<b>+2.1</b>
Żywność jałówek	<b>+0.4</b>	Współczynnik zacieleń jałówek	<b>+3.8</b>
Komórki somatyczne	<b>2.64</b>	Zapalenie macicy	<b>1.4%</b>
Prędkość doju	<b>6.6</b>	Przemieszczenie trawienia	<b>0.0%</b>
Mastitis	<b>3.7%</b>	Gorączka mleczna	<b>0.1%</b>
Ketoza	<b>1.0%</b>	Zatrzymanie łożyska	<b>0.8%</b>

### Cechy wycieleń

Łatw. wyc. buhaja	<b>1.3%</b>	<b>62% Powt.</b>	<b>0 Obs</b>
Łatw. wyc. córek	<b>1.8%</b>	<b>58% Powt.</b>	<b>0 Obs 0 cór.</b>
Przeżywalność buhaja	<b>3.6%</b>	<b>59% Powt.</b>	<b>0 Obs</b>
Przeżywalność córek	<b>3.4%</b>	<b>56% Powt.</b>	<b>0 Obs 0 cór.</b>

### Płodność buhaja

PregCheck™	<b>N/A</b>	<b>N/A Powt.</b>
PregCheck+™	<b>N/A</b>	<b>N/A Powt.</b>
Współczynnik zacieleń buhaja	<b>N/A</b>	<b>N/A Powt.</b>

# WYCENA GENOMOWA

001HO16228 KOEPON HILBERT-RED-ET

## HILBERT-RED

HELIUM-RED X AltaALTUVE\*RC X SALVATORE RC

Ojciec AOT HELIUM-RED-ET

Matka KOEPON ALTUVE RANGE 6 RF

PF 127

IE 2043



Data urodzenia: 06.11.2021

HONLDM000577621626

99% RHA - I

Beta Kazeina: A1A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+249		
ICC™ Mleko	+161	ICC™ Zdrowie	+220	ICC™ Efektywność	+178
NM\$	+260	CM\$	+275	TPI*	+2749
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+359	82% Powt.	Produkcja życiowa	+1.7	
Białko	+20	+0.03%	Żywotność krów	+0.1	
Tłuszcz	+35	+0.08%	Żywotność jałówek	+0.0	
Białko + tłuszcz	+55		Komórki somatyczne	2.89	
Oszczędność paszy	-174		Płodność córek	-1.3	
RobotX™	100		Wsk. zacieleń krów	-1.9	
			Wsk. zacieleń jałówek	-1.0	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+12.4		łatw. wyc. buhaja	1.3%	Płodność buhaja
PTAT	+0.77	80% Powt.	łatw. wyc. córek	1.8%	PregCheck™ N/A N/A Powt.
UDC	+0.20		Przeżywalność buhaja	3.8%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
FLC	+0.27		Przeżywalność córek	3.4%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 1.3
Budowa	Delikatna	Mocna 0.5
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.8
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.2
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.8
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.1
Tylne nogi z boku	Pionowe	Łukowate 1.5
Tylne nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.6
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.3
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.6
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.0
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.2
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.3
Więzadło	Słabe	Mocna 0.0
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.2
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.2
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.1
Długość strzyków	Niski	Długie 0.7

001HO16757 PEAK HUXLEY-ET

## HUXLEY

ZAPPY X HELIX X PURSUIT

Ojciec PEAK ZAPPY-ET

Matka PEAK HULA-ET

GenChoice™

PF 130

IE 1906



Data urodzenia: 07.12.2022

HO840M003247835520

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: BB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+653		
ICC™ Mleko	+401	ICC™ Zdrowie	+541	ICC™ Efektywność	+646
NM\$	+743	CM\$	+775	TPI*	+3156
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+976	81% Powt.	Produkcja życiowa	+0.6	
Białko	+52	+0.07%	Żywotność krów	-3.2	
Tłuszcz	+111	+0.26%	Żywotność jałówek	+0.1	
Białko + tłuszcz	+163		Komórki somatyczne	3.01	
Oszczędność paszy	+57		Płodność córek	-2.0	
RobotX™	104		Wsk. zacieleń krów	-1.3	
			Wsk. zacieleń jałówek	-0.2	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+7.5		łatw. wyc. buhaja	1.2%	Płodność buhaja
PTAT	+0.88	81% Powt.	łatw. wyc. córek	1.3%	PregCheck™ 101 94% Powt.
UDC	-0.05		Przeżywalność buhaja	3.9%	PregCheck+™ 105 99% Powt.
FLC	-0.11		Przeżywalność córek	3.6%	SCR +2.0

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 1.2
Budowa	Delikatna	Mocna 0.6
Głębokość	Płytka	Głęboka 1.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 2.2
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.6
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.6
Tylne nogi z boku	Pionowe	Łukowate 1.5
Tylne nogi z tyłu	Iksowate	Proste -0.1
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.2
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.3
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.3
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski -0.3
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.5
Więzadło	Słabe	Mocna 0.8
Głębokość	Głęboka	Płytka -0.2
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.9
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.2
Długość strzyków	Niski	Długie 0.1

# WYCENA GENOMOWA



## HOLLA

001HO17959

COOKIECUTTER HOLLA-ET

HO840M003258837349

GenChoice™

Data urodzenia 11/04/2024

Kappa Kazeina BB | Beta Kazeina A2A2

Haplotypy HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F

HMW0

Kody genetyczne TC TD TE TL TP TR TV TY

aAa 243 | DMS 561,126 | EFI 12.40%

Aktualna wycena USA-202604

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX

**PF brak**  
**IE brak**

### Pokrój

Na podstawie - córki w - stada (78% Powt.)

Współczesny Indeks Wymienia	<b>+13.6</b>	
PTAT	<b>+1.53</b>	78% Powt.
UDC	<b>+0.53</b>	
FLC	<b>+0.52</b>	

	-2	-1	0	1	2		
Wzrost						1.3	Wysoki
Budowa						1.3	Mocna
Głębokość						1.2	Głęboka
Typ mleczny						1.2	Lekki
Pochylenie zadu						0.4	Spadzisty
Szerokość zadu						1.4	Szeroki
Tylne nogi z boku						1.1	Łukowate
Tylne nogi z tyłu						1.0	Proste
Ustawienie racic						0.5	Strome
Lokomocja						0.7	Wysokie
Zaw.przed.wym						1.0	Mocna
Wysokość wymienia						1.1	Niski
Szerokość wymienia						1.7	Szerokie
Więzadło						-0.3	Słabe
Głębokość						0.2	Płytka
Przednie strzyki						0.3	Zbieżne
Tylne strzyki						-0.3	Szeroki
Długość strzyków						-0.3	Niski

### Rodowód

Ojciec	PEAK CH ALTAINSPIRE-ET
Matka	COOKIECUTTER LET HONALEI-ET
O.M.	AURORA LETCHWORTH-ET
M.M.	COOKIECUTTER CN HOLISTON-ET
O.O.M.	SANDY-VALLEY R CONWAY-ET
M.M.M.	COOKIECUTTER HOPELYNN-ET

### ICC™ Ogólny

**+1000**

ICC™ Mleko	<b>+727</b>	ICC™ Zdrowie	<b>+930</b>	ICC™ Efektywność	<b>+934</b>
NM\$	<b>+859</b>	CM\$	<b>+907</b>	TPI®	<b>+3448</b>

### Produkcja

Mleko	<b>+970 Lbs</b>	<b>79% Powt.</b>
Białko	<b>+60 Lbs</b>	<b>+0.10%</b>
Tłuszcz	<b>+93 Lbs</b>	<b>+0.19%</b>
Oszczędność paszy	<b>-165</b>	<b>46% Powt.</b>
RobotX™	<b>105</b>	

### Cechy zdrowotne

Produkcja życiowa	<b>+4.5</b>	Płodność córek	<b>+0.7</b>
Żywotność krów	<b>+1.6</b>	Współczynnik zacieleń krów	<b>+2.4</b>
Żywotność jałówek	<b>+0.0</b>	Współczynnik zacieleń jałówek	<b>+2.4</b>
Komórki somatyczne	<b>2.81</b>	Zapalenie macicy	<b>1.9%</b>
Prędkość doju	<b>6.8</b>	Przemieszczenie trawienia	<b>-0.2%</b>
Mastitis	<b>3.8%</b>	Gorączka mleczna	<b>0.1%</b>
Ketoza	<b>0.5%</b>	Zatrzymanie łożyska	<b>0.7%</b>

### Cechy wycieleń

Łatw. wyc. buhaja	<b>1.4%</b>	<b>62% Powt.</b>	<b>0 Obs</b>
Łatw. wyc. córek	<b>1.4%</b>	<b>57% Powt.</b>	<b>0 Obs 0 cór.</b>
Przeżywalność buhaja	<b>4.4%</b>	<b>59% Powt.</b>	<b>0 Obs</b>
Przeżywalność córek	<b>3.5%</b>	<b>56% Powt.</b>	<b>0 Obs 0 cór.</b>

### Płodność buhaja

PregCheck™	<b>N/A</b>	<b>N/A Powt.</b>
PregCheck+™	<b>N/A</b>	<b>N/A Powt.</b>
Współczynnik zacieleń buhaja	<b>N/A</b>	<b>N/A Powt.</b>

# WYCENA GENOMOWA

001HO17352 SIEMERS LEX-PP-RED-ET

## LEX-PP-RED

LAZER-PP-RED X MCDONALD-P-RED X LUSTER-P

Ojciec VOGUE LAZER-PP-RED

Matka SIEMERS MCDN HANAN 36610-ET

GenChoice ~

PF 123

IE 725



Data urodzenia: 08.09.2023

HO840M003267429178

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: PP TC TD TE TL TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny +29					
ICC™ Mleko	-25	ICC™ Zdrowie	+45	ICC™ Efektywność	-26
NM\$	+107	CM\$	+110	TPI*	+2689
<b>Produkcja</b>		<b>Zdrowie</b>			
Mleko	-194	81% Powt.	Produkcja życiowa	+0.8	
Białko	-5	+0.01%	Żywotność krów	-0.4	
Tłuszcz	+26	+0.13%	Żywotność jałówek	+0.1	
Białko + tłuszcz	+21		Komórki somatyczne	2.93	
Oszczędność paszy	-95		Płodność córek	-0.4	
RobotX™	100		Wsk. zacieleń krów	-1.4	
			Wsk. zacieleń jałówek	+0.4	
<b>Pokrój</b>		<b>Cechy wycieleń</b>		<b>Płodność buhaja</b>	
MUI	+7.2	łatw. wyc. buhaja	1.8%	PregCheck™	99 83% Powt.
PTAT	+2.08	łatw. wyc. córek	2.2%	PregCheck+™	106 90% Powt.
UDC	+1.44	Przeżywalność buhaja	3.6%	SCR	-0.5
FLC	+1.22	Przeżywalność córek	4.6%		

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 2.3
Budowa	Delikatna	Mocna 0.1
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.8
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.7
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.8
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.6
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.7
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 1.8
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 2.0
Lokomocja	Niskie	Wysokie 1.6
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 2.4
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.8
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.2
Więzadło	Słabe	Mocna 1.2
Głębokość	Głęboka	Płytka 2.3
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.9
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 1.8
Długość strzyków	Niski	Długie 0.1

001HO17110 PEAK LONGMIRE-ET

## LONGMIRE

MAVERICK X AltaWHEELHOUSE X MARIUS

Ojciec WET GAMEDAY MAVERICK-ET

Matka PEAK OCTAVIA 15944-ET

PF 137

IE 2355



Data urodzenia: 03.07.2023

HO840M003251555893

99% RHA - I

Beta Kazeina: A1A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny +707					
ICC™ Mleko	+420	ICC™ Zdrowie	+620	ICC™ Efektywność	+642
NM\$	+684	CM\$	+727	TPI*	+3229
<b>Produkcja</b>		<b>Zdrowie</b>			
Mleko	+522	80% Powt.	Produkcja życiowa	+1.8	
Białko	+44	+0.10%	Żywotność krów	-2.3	
Tłuszcz	+98	+0.28%	Żywotność jałówek	+0.2	
Białko + tłuszcz	+142		Komórki somatyczne	2.88	
Oszczędność paszy	-37		Płodność córek	-0.3	
RobotX™	104		Wsk. zacieleń krów	+1.1	
			Wsk. zacieleń jałówek	+0.3	
<b>Pokrój</b>		<b>Cechy wycieleń</b>		<b>Płodność buhaja</b>	
MUI	+12.9	łatw. wyc. buhaja	2.0%	PregCheck™	N/A N/A Powt.
PTAT	+1.10	łatw. wyc. córek	2.3%	PregCheck+™	104 72% Powt.
UDC	+0.88	Przeżywalność buhaja	4.9%	SCR	N/A
FLC	+0.30	Przeżywalność córek	4.8%		

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.9
Budowa	Delikatna	Mocna 0.3
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.3
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.8
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.8
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.5
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.1
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.5
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.6
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.4
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 2.1
Więzadło	Słabe	Mocna 0.5
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.4
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.2
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.3
Długość strzyków	Niski	Długie 0.3

# WYCENA GENOMOWA

001HO17248 PEAK LORAX-ET

## LORAX

LOCKSTEP X UPSIDE X AltaZAZZLE

Ojciec PEAK LOCKSTEP-ET

Matka PEAK MORETTI-ET

GenChoice

PF 144

IE 3104



Data urodzenia: 11.03.2023

HO840M003275362776

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+1054		
ICC™ Mleko	+844	ICC™ Zdrowie	+1018	ICC™ Efektywność	+996
NM\$	+997	CM\$	+1029	TPI*	+3298
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+853	80% Powt.	Produkcja życiowa	+5.6	
Białko	+44	+0.06%	Żywność krów	+3.2	
Tłuszcz	+96	+0.22%	Żywność jałówek	-0.7	
Białko + tłuszcz	+140		Komórki somatyczne	2.67	
Oszczędność paszy	+198		Płodność córek	-0.5	
RobotX™	106		Wsk. zacielen krów	+1.3	
			Wsk. zacielen jałówek	+1.0	
<b>Pokrój</b>			<b>Płodność buhaja</b>		
MUI	+10.5		PregCheck™	102	82% Powt.
PTAT	+0.07	78% Powt.	PregCheck+™	103	99% Powt.
UDC	+0.28		SCR	+2.1	
FLC	-0.22				
<b>Cechy wycieleń</b>					
łatw. wyc. buhaja	1.1%				
łatw. wyc. córek	1.2%				
Przeżywalność buhaja	3.6%				
Przeżywalność córek	2.9%				

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.3
Budowa	Delikatna	Mocna -0.9
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.8
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.3
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.7
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki -0.2
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.2
Tylnie nogi z tyłu	Ikswate	Proste -0.5
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.2
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.2
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.4
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.3
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.5
Więzadło	Słabe	Mocna -0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.2
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.5
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.4
Długość strzyków	Niski	Długie 0.0

001HO17972 PEN-COL PINGPONG-ET

## PINGPONG

AltaMAKEOVER X SHEEPSTER X GAMEDAY

Ojciec PEAK ALTAMAKEOVER-ET

Matka PEN-COL S GLIMMER 6913-ET

GenChoice

PF brak

IE brak



Data urodzenia: 01.05.2025

HO840M003274830864

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+1124		
ICC™ Mleko	+824	ICC™ Zdrowie	+999	ICC™ Efektywność	+1096
NM\$	+1139	CM\$	+1181	TPI*	+3423
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+1230	79% Powt.	Produkcja życiowa	+3.6	
Białko	+65	+0.09%	Żywność krów	+0.3	
Tłuszcz	+130	+0.29%	Żywność jałówek	+0.3	
Białko + tłuszcz	+195		Komórki somatyczne	2.91	
Oszczędność paszy	+261		Płodność córek	-1.0	
RobotX™	102		Wsk. zacielen krów	+0.3	
			Wsk. zacielen jałówek	+0.6	
<b>Pokrój</b>			<b>Płodność buhaja</b>		
MUI	+9.5		PregCheck™	N/A	N/A Powt.
PTAT	+0.14	78% Powt.	PregCheck+™	N/A	N/A Powt.
UDC	-0.10		SCR	N/A	
FLC	-0.43				
<b>Cechy wycieleń</b>					
łatw. wyc. buhaja	1.4%				
łatw. wyc. córek	1.5%				
Przeżywalność buhaja	3.3%				
Przeżywalność córek	3.2%				

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.2
Budowa	Delikatna	Mocna -0.6
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.0
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.9
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.6
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.0
Tylnie nogi z tyłu	Ikswate	Proste -0.6
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.5
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.4
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna -0.4
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.3
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.7
Więzadło	Słabe	Mocna -0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka -1.1
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.3
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.1
Długość strzyków	Niski	Długie 0.4

# WYCENA GENOMOWA

001HO17667 PEAK PULSAR-ET

## PULSAR

EXCITEMENT X ACHIEVE X ZILLION

Ojciec PEAK EXCITEMENT-ET

Matka PEAK PRECISE-ET

GenChoice

PF 149

IE 2985



Data urodzenia: 09.09.2024

HO840M003292511063

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AA

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TL TP TR TV

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+1057		
ICC™ Mleko	+763	ICC™ Zdrowie	+1013	ICC™ Efektywność	+1028
NM\$	+950	CM\$	+999	TPI*	+3385
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+564	79% Powt.	Produkcja życiowa	+5.3	
Białko	+47	+0.11%	Żywotność krów	+0.6	
Tłuszcz	+97	+0.27%	Żywotność jałówek	+0.3	
Białko + tłuszcz	+144		Komórki somatyczne	2.64	
Oszczędność paszy	+130		Płodność córek	+0.2	
RobotX™	103		Wsk. zacielen krów	+2.3	
			Wsk. zacielen jałówek	+3.8	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+10.8		łatw. wyc. buhaja	1.2%	Płodność buhaja
PTAT	+0.94	78% Powt.	łatw. wyc. córek	1.9%	PregCheck™ N/A N/A Powt.
UDC	+0.37		Przeżywalność buhaja	3.6%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
FLC	+0.54		Przeżywalność córek	4.3%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.3
Budowa	Delikatna	Mocna 0.4
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.3
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.6
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.7
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.3
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.2
Tylnie nogi z tyłu	Ikswate	Proste 0.6
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.3
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.6
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.8
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.0
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.2
Więzadło	Słabe	Mocna -1.0
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.0
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -1.0
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne -1.1
Długość strzyków	Niski	Długie 0.6

001HO17685 APRILDAY SOLOCUP-RED-ET

## SOLOCUP-RED

GAMEDAY X TRUMPET-RED X CAPTAIN

Ojciec APRILDAY GAMEDAY LEAD-ET

Matka APRILDAY TMPT ELMARO-RED-ET

GenChoice

PF 129

IE 1694



Data urodzenia: 12.05.2023

HO840M003252208497

99% RHA - I

Beta Kazeina: A1A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TV

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+593		
ICC™ Mleko	+573	ICC™ Zdrowie	+562	ICC™ Efektywność	+545
NM\$	+488	CM\$	+493	TPI*	+2994
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+892	79% Powt.	Produkcja życiowa	+3.4	
Białko	+28	+0.00%	Żywotność krów	+0.1	
Tłuszcz	+37	+0.00%	Żywotność jałówek	+0.8	
Białko + tłuszcz	+65		Komórki somatyczne	2.85	
Oszczędność paszy	+40		Płodność córek	+1.4	
RobotX™	104		Wsk. zacielen krów	+2.2	
			Wsk. zacielen jałówek	+0.8	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+12.4		łatw. wyc. buhaja	1.3%	Płodność buhaja
PTAT	+0.75	79% Powt.	łatw. wyc. córek	1.8%	PregCheck™ 102 73% Powt.
UDC	+0.84		Przeżywalność buhaja	3.8%	PregCheck+™ 104 78% Powt.
FLC	+0.13		Przeżywalność córek	3.6%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 1.1
Budowa	Delikatna	Mocna -0.4
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.3
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.4
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 1.7
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.1
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.5
Tylnie nogi z tyłu	Ikswate	Proste -0.2
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.3
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.5
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.8
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.6
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.9
Więzadło	Słabe	Mocna -0.2
Głębokość	Głęboka	Płytka 1.4
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.2
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.0
Długość strzyków	Niski	Długie -0.3

# WYCENA GENOMOWA

001HO17369 PEAK SPELLBOUND-ET

## SPELLBOUND

AltaOVERDRIVE X POWERHOUSE X AHEAD

Ojciec PEAK ALTAOVERDRIVE-ET

Matka OCD PEAK FOLLA-ET

PF 147

IE 3011



Data urodzenia: 02.17.2024

HO840M003272456999

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+894		
ICC™ Mleko	+490	ICC™ Zdrowie	+816	ICC™ Efektywność	+794
NM\$	+890	CM\$	+960	TPI*	+3364
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+592	79% Powt.	Produkcja życiowa	+2.8	
Białko	+63	+0.16%	Żywotność krów	-1.8	
Tłuszcz	+113	+0.33%	Żywotność jałówek	-0.9	
Białko + tłuszcz	+176		Komórki somatyczne	2.70	
Oszczędność paszy	+21		Plodność córek	-2.0	
RobotX™	96		Wsk. zacieleń krów	-0.7	
			Wsk. zacieleń jałówek	-0.4	
<b>Pokrój</b>			<b>Plodność buhaja</b>		
MUI	+10.2		PregCheck™	98	64% Powt.
PTAT	+0.58	78% Powt.	PregCheck+™	N/A	N/A Powt.
UDC	+0.67		SCR	N/A	
FLC	-0.56				
<b>Cechy wycieleń</b>					
łatw. wyc. buhaja	1.4%				
łatw. wyc. córek	1.3%				
Przeżywalność buhaja	4.0%				
Przeżywalność córek	4.3%				

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.9
Budowa	Delikatna	Mocna -0.7
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.4
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.2
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 2.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.9
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.3
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -0.6
Ustawienie racic	Płaskie	Strone 0.0
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.3
Zaw.przed.wym	Wysokie	Mocna 0.4
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.9
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.4
Więzadło	Słabe	Mocna 0.6
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.8
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.6
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.8
Długość strzyków	Niski	Długie -0.9

001HO16772 PEAK TILTAWHIRL-ET

## TILTAWHIRL

SPLENDIDO-P X AltaWHEELHOUSE X LIONEL

Ojciec WINSTAR SPLENDIDO-P-ET

Matka PEAK ASTRA-ET

PF 135

IE 2544



Data urodzenia: 12.28.2022

HO840M003252198364

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: AB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+880		
ICC™ Mleko	+761	ICC™ Zdrowie	+792	ICC™ Efektywność	+854
NM\$	+838	CM\$	+851	TPI*	+3202
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+1474	81% Powt.	Produkcja życiowa	+3.2	
Białko	+52	+0.01%	Żywotność krów	+1.2	
Tłuszcz	+96	+0.13%	Żywotność jałówek	-0.2	
Białko + tłuszcz	+148		Komórki somatyczne	2.90	
Oszczędność paszy	+31		Plodność córek	-1.7	
RobotX™	107		Wsk. zacieleń krów	+0.1	
			Wsk. zacieleń jałówek	+2.4	
<b>Pokrój</b>			<b>Plodność buhaja</b>		
MUI	+11.8		PregCheck™	N/A	N/A Powt.
PTAT	+0.03	80% Powt.	PregCheck+™	N/A	N/A Powt.
UDC	+0.31		SCR	N/A	
FLC	-0.88				
<b>Cechy wycieleń</b>					
łatw. wyc. buhaja	1.4%				
łatw. wyc. córek	1.7%				
Przeżywalność buhaja	3.9%				
Przeżywalność córek	4.0%				

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.5
Budowa	Delikatna	Mocna 0.2
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.0
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.6
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 2.0
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.4
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.1
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -1.0
Ustawienie racic	Płaskie	Strone -0.4
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.7
Zaw.przed.wym	Wysokie	Mocna 0.3
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.4
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.0
Więzadło	Słabe	Mocna -0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.3
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.2
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.2
Długość strzyków	Niski	Długie -0.3

# WYCENA GENOMOWA

001HO17331 PEAK WILDONE-ET

## WILDONE

VIVIFY X AltaPOWERBUCK X AltaZAZZLE

Ojciec PROGGENESIS VIVIFY-ET

Matka PEAK GALENA-ET

PF 147

IE 3355



Data urodzenia: 10.19.2023  
HO840M003269405338  
99% RHA - I  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: AB  
Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0  
Kody genetyczne: TC TD TE TL TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+659		
ICC™ Mleko	+610	ICC™ Zdrowie	+641	ICC™ Efektywność	+608
NM\$	+531	CM\$	+544	TPI*	+3107
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+1182	79% Powt.	Produkcja życiowa	+3.3	
Białko	+41	+0.01%	Żywotność krów	-0.5	
Tłuszcz	+50	+0.00%	Żywotność jałówek	-0.1	
Białko + tłuszcz	+91		Komórki somatyczne	2.78	
Oszczędność paszy	-135		Płodność córek	+0.2	
RobotX™	97		Wsk. zacieleń krów	+1.8	
			Wsk. zacieleń jałówek	+2.2	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+10.7		łatw. wyc. buhaja	1.4%	Płodność buhaja
PTAT	+0.51	78% Powt.	łatw. wyc. córek	1.2%	PregCheck™ N/A N/A Powt.
UDC	+0.80		Przeżywalność buhaja	3.7%	PregCheck+™ N/A N/A Powt.
FLC	+0.28		Przeżywalność córek	3.7%	SCR N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.7
Budowa	Delikatna	Mocna 0.2
Głębokość	Płytka	Głęboka -0.1
Typ mleczny	Mocny	Lekki -0.1
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.9
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.7
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate -1.2
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.5
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 1.2
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.4
Zaw.przed.wym	Wysokie	Mocna 0.8
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.1
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 1.2
Więzadło	Słabe	Mocna 0.9
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.7
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.7
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.9
Długość strzyków	Niski	Długie 0.7

001HO16646 PEAK ZIMMER-ET

## ZIMMER

JALAPENO X INCREDIBLE X PURSUIT

Ojciec PROGGENESIS JALAPENO

Matka PEAK ZAIDA-ET

PF 135

IE 2770



Data urodzenia: 04.25.2022  
HO840M003247843570  
99% RHA - I  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: BB  
Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0  
Kody genetyczne: TC TD TE TL TR TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+649		
ICC™ Mleko	+532	ICC™ Zdrowie	+600	ICC™ Efektywność	+688
NM\$	+664	CM\$	+693	TPI*	+3060
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+1013	82% Powt.	Produkcja życiowa	+2.7	
Białko	+47	+0.05%	Żywotność krów	-0.2	
Tłuszcz	+47	+0.02%	Żywotność jałówek	-0.4	
Białko + tłuszcz	+94		Komórki somatyczne	2.74	
Oszczędność paszy	+343		Płodność córek	-2.2	
RobotX™	101		Wsk. zacieleń krów	-1.6	
			Wsk. zacieleń jałówek	+1.7	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+11.3		łatw. wyc. buhaja	0.8%	Płodność buhaja
PTAT	+0.83	81% Powt.	łatw. wyc. córek	0.6%	PregCheck™ 101 93% Powt.
UDC	+0.83		Przeżywalność buhaja	3.2%	PregCheck+™ 102 97% Powt.
FLC	-0.56		Przeżywalność córek	2.3%	SCR -0.9

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.9
Budowa	Delikatna	Mocna -0.3
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 2.7
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 1.4
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 1.6
Tylnie nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.7
Tylnie nogi z tyłu	Iksowate	Proste -1.1
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.1
Lokomocja	Niskie	Wysokie -0.1
Zaw.przed.wym	Wysokie	Mocna 0.6
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 1.4
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 2.1
Więzadło	Słabe	Mocna 0.7
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.1
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.5
Tylnie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.7
Długość strzyków	Niski	Długie 0.9

# WYCENA GENOMOWA

001HO16808 PEAK ZINGZANG-ET

## ZINGZANG

AltaALANZO X AltaJUMP CUT X LIONEL

Ojciec PEAK ALTAALANZO-ET

Matka PEAK AROMATIC-ET

PF 145

IE 2582



Data urodzenia: 10.26.2022

HO840M003252198109

99% RHA - I

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: BB

Haplotypy: HH1F HH2F HH3F HH4F HH5F HCDF HH6F HMW0

Kody genetyczne: TC TD TE TL TP TR TV TY

Zasilane przez CDCB | HA-USA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+707		
ICC™ Mleko	+434	ICC™ Zdrowie	+669	ICC™ Efektywność	+647
NM\$	+778	CM\$	+815	TPI*	+3179
Produkcja			Zdrowie		
Mleko	+412	81% Powt.	Produkcja życiowa	+1.9	
Białko	+35	+0.08%	Żywotność krów	+0.3	
Tłuszcz	+107	+0.34%	Żywotność jałówek	+0.4	
Białko + tłuszcz	+142		Komórki somatyczne	2.71	
Oszczędność paszy	+20		Płodność córek	-1.4	
RobotX™	110		Wsk. zacielen krów	+0.3	
			Wsk. zacielen jałówek	+1.0	
Pokrój			Cechy wycieleń		
MUI	+9.7		łatw. wyc. buhaja	1.4%	
PTAT	+0.56	81% Powt.	łatw. wyc. córek	1.6%	
UDC	+0.26		Przeżywalność buhaja	3.6%	
FLC	+0.09		Przeżywalność córek	4.0%	
			Płodność buhaja		
			PregCheck™	N/A N/A Powt.	
			PregCheck+™	N/A N/A Powt.	
			SCR	N/A	

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 1.4
Budowa	Delikatna	Mocna 0.1
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.3
Typ mleczny	Mocny	Lekki 1.0
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.6
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.6
Tylne nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.6
Tylne nogi z tyłu	Ikrowate	Proste 0.0
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.9
Lokomocja	Niskie	Wysokie 0.5
Zaw.przed.wym	Wysokie	Mocna 1.0
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.4
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.1
Więzadło	Słabe	Mocna -0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka 1.4
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.1
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.5
Długość strzyków	Niski	Długie 0.2



## Make Every Day Girls' Day

z nasieniem seksowanym GenChoice™

Więcej jałówek. Większa pewność.

Nasienie seksowane GenChoice™ zapewni jałówki, których potrzebujesz - poparte niezawodnymi wynikami oraz opartymi na danych analizami, które pomogą podejmować Ci trafniejsze decyzje hodowlane.



### Rankingi płodności PregCheck+™

Prosty, oparty na danych sposób porównywania płodności nasienia. Wyższa liczba oznacza lepsze wyniki skuteczności zacielen.

#### Dane, którym możesz zaufać

Oparte na rzeczywistych wynikach nasienień i potwierdzonych ciąży.

#### Sprawdzona płodność

Sprawdzone wyniki poparte najwyższą w branży jakością.

#### Planowanie z pewnością

Podejmuj mądrzejsze decyzje hodowlane, gdy liczy się każda jałówka.

95 96 97 98 99 **100** 101 102 103 104 105

Poniżej średniej

Powyżej średniej

### Każde krycie ma znaczenie.

Postaw nasokowane nasienie GenChoice™ i wykorzystuj rankingi PregCheck+™ - gwarancja sprawdzonej płodności.

Oparte na rzeczywistych danych hodowlanych. Stworzone z myślą o realnych warunkach.

# RASA BROWN SWISS

001BS00718 PERRY BROOK LATITUDE ETV

## LATITUDE

RASTAROKET X PACTOLE X LUCKY CHANCE

**Ojciec** RASTAROKET ET

**Matka** PERRY BROOK PACT LULU ETV

Data urodzenia: 11.10.2023  
BS840M003231540602  
Beta Kazeina: A1A2  
Haplotypy: BH2F



Zasilane przez CDCB | Stowarzyszenie hodowlane | 04/2026

NM\$	+515	CM\$	+530	PPR	+143
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+1150	65% Powt.	Produkcja życiowa	+2.6	
Białko	+45	+0.02%	Żywotność jałówek	N/A	
Tłuszcz	+55	+0.03%	Komórki somatyczne	2.99	
Białko + tłuszcz	+100		Płodność córek	+1.5	
<b>Pokrój</b>			łatw. Wyc. Buhaja 3.4%		
UDC	+0.29				
PTAT	+0.10	66% Powt.			
Indeks Budowy Nóg i	+0.00				

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 1.7
Budowa	Delikatna	Mocna 0.4
Głębokość	Płytka	Głęboka 0.4
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.5
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 1.1
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.6
Tylne nogi z boku	Pionowe	Łukowate -0.7
Tylne nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.0
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.2
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 1.3
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.4
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.1
Więzadło	Słabe	Mocna -0.2
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.8
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.6
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne
Długość strzyków	Niski	Długie -0.1

001BS00716 HILLTOP ACRES PATRON ETV

## PATRON

PACTOLE X ELMSTAR X CADENCE

**Ojciec** PACTOLE

**Matka** HILLTOP ACRES EM POLLY ETV

Data urodzenia: 09.24.2022  
BS840M003256390122  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: BB  
Haplotypy: BH2F



Zasilane przez CDCB | Stowarzyszenie hodowlane | 04/2026

NM\$	+373	CM\$	+416	PPR	+140
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+598	68% Powt.	Produkcja życiowa	-0.6	
Białko	+49	+0.13%	Żywotność jałówek	N/A	
Tłuszcz	+55	+0.14%	Komórki somatyczne	3.01	
Białko + tłuszcz	+104		Płodność córek	-0.3	
<b>Pokrój</b>			łatw. Wyc. Buhaja 3.5%		
UDC	+0.57				
PTAT	+0.70	70% Powt.			
Indeks Budowy Nóg i	+0.20				

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 1.9
Budowa	Delikatna	Mocna 1.1
Głębokość	Płytka	Głęboka 1.2
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.9
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.8
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.3
Tylne nogi z boku	Pionowe	Łukowate 0.3
Tylne nogi z tyłu	Iksowate	Proste 0.3
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.1
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.9
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.5
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.6
Więzadło	Słabe	Mocna 0.5
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.1
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.5
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne
Długość strzyków	Niski	Długie -0.3

001JE07766 SCHOENE KUH KINGKONG-PP-ET

## KINGKONG-PP

JACOB-P X SUAVECITO X LISTOWEL-P

Ojciec TOG JACOB-P-ET

Matka JER-Z-BOYZ SUAVECITO 83263-P

GenChoice ~

Data urodzenia: 04.23.2024

JE840M003254169029

BBR: 100

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: BB

Haplotypy: JH1F JNSF

Kody genetyczne: JNSF



Zasilane przez CDCB | AJCA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny		+465	
NM\$	+498	CM\$	+149
<b>Produkcja</b>		<b>Zdrowie</b>	
Mleko	+557 74% Powt.	Produkcja życiowa	+4.3
Białko	+28 +0.04%	Żywotność krów	+1.2
Tłuszcz	+37 +0.05%	Żywotność jałówek	+0.3
Białko + tłuszcz	+65	Komórki somatyczne	2.83
RobotX™	97	Płodność córek	-0.4
<b>Pokrój</b>		<b>Płodność buhaja</b>	
JUJ™	+10.1	PregCheck™	N/A N/A Powt.
PTAT	+0.50 78% Powt.	PregCheck+™	99 74% Powt.
		SCR	N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki -0.8
Budowa	Delikatna	Mocna -0.1
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.6
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty 0.2
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki -0.4
Tylne nogi z boku	Pionowe	Lukowate 0.5
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.4
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna -0.5
Wysokość wymienia	Płaskie	Niska 0.1
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.3
Więzadło	Słabe	Mocna 0.3
Głębokość	Głęboka	Płytka -1.0
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.3
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.3
Długość strzyków	Niski	Długie -0.9

001JE07682 JX PEAK TRIUMPH {6}-ET

## TRIUMPH {6}

THRASHER X PREMONITION X VICEROY

Ojciec JX CDF JLS PILGRIM THRASHER {6}

Matka JX PEAK AMBIENCE {5}-ET

GenChoice ~

Data urodzenia: 01.16.2024

JE840M003272456914

BBR: 100

Beta Kazeina: A2A2

Kappa Kazeina: BB

Haplotypy: JH1F JNSF

Kody genetyczne: JNSF



Zasilane przez CDCB | AJCA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny		+513	
NM\$	+488	CM\$	+153
<b>Produkcja</b>		<b>Zdrowie</b>	
Mleko	+817 77% Powt.	Produkcja życiowa	+3.9
Białko	+34 +0.02%	Żywotność krów	-0.2
Tłuszcz	+48 +0.04%	Żywotność jałówek	-0.2
Białko + tłuszcz	+82	Komórki somatyczne	2.96
RobotX™	101	Płodność córek	+0.0
<b>Pokrój</b>		<b>Płodność buhaja</b>	
JUJ™	+12.0	PregCheck™	N/A N/A Powt.
PTAT	+0.30 80% Powt.	PregCheck+™	98 88% Powt.
		SCR	N/A

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.3
Budowa	Delikatna	Mocna 0.4
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.5
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.4
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki -0.2
Tylne nogi z boku	Pionowe	Lukowate 0.9
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.1
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.4
Wysokość wymienia	Płaskie	Niska -0.6
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie -0.2
Więzadło	Słabe	Mocna 0.1
Głębokość	Głęboka	Płytka 0.0
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.8
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.9
Długość strzyków	Niski	Długie -0.1

# RASA JERSEY

001JE07706 JX PEAK YARO {6}-ET

## YARO {6}

AltaFOREFRONT X JALAPENO X THRASHER

Ojciec JX PEAK ALTAFOREFRONT {5}-ET

Matka FB JALAPENO POPPER-ET

GenChoice ~



Data urodzenia: 03.28.2024  
JE840M003272457079  
BBR: 100  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: BB  
Haplotypy: JH1F JNSF  
Kody genetyczne: JNSF

Zasilane przez CDCB | AJCA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+396		
NM\$	+430	CMS	+459	JPI™	+141
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+650	73% Powt.	Produkcja życiowa	+2.9	
Białko	+38	+0.07%	Żywotność krów	+0.8	
Tłuszcz	+41	+0.04%	Żywotność jałówek	+0.0	
Białko + tłuszcz	+79		Komórki somatyczne	2.81	
RobotX™	100		Płodność córek	-2.5	
<b>Pokrój</b>			Wsk. zacielen krów		
JUJ™	+13.1		-1.3		
PTAT	+0.50	78% Powt.	Wsk. zacielen jałówek		
			+1.1		
			<b>Płodność buhaja</b>		
			PregCheck™	N/A	N/A Powt.
			PregCheck+™	N/A	N/A Powt.
			SCR	N/A	

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.0
Budowa	Delikatna	Mocna 0.5
Typ mleczny	Mocny	Lekki 0.3
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.8
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.1
Tylne nogi z boku	Pionowe	Lukowate 0.4
Ustawienie racic	Płaskie	Strome 0.0
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.3
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski 0.0
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie 0.0
Więzadło	Słabe	Mocna 0.6
Głębokość	Głęboka	Płytko -0.2
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne 0.0
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.3
Długość strzyków	Niski	Długie 0.3

001JE07680 JX PEAK ZIPLINE {6}-ET

## ZIPLINE {6}

THRASHER X DABO-P X STONEY

Ojciec JX CDF JLS PILGRIM THRASHER {6}

Matka JX DUPAT ZIPPY {5}-P-ET



Data urodzenia: 01.20.2024  
JE840M003272456924  
BBR: 100  
Beta Kazeina: A2A2  
Kappa Kazeina: BB  
Haplotypy: JH1F JNSF  
Kody genetyczne: JNSF

Zasilane przez CDCB | AJCA | GENEX | 04/2026

ICC™ Ogólny			+522		
NM\$	+503	CMS	+506	JPI™	+164
<b>Produkcja</b>			<b>Zdrowie</b>		
Mleko	+1030	77% Powt.	Produkcja życiowa	+4.4	
Białko	+31	-0.04%	Żywotność krów	+1.8	
Tłuszcz	+45	-0.03%	Żywotność jałówek	+0.1	
Białko + tłuszcz	+76		Komórki somatyczne	2.83	
RobotX™	103		Płodność córek	+0.1	
<b>Pokrój</b>			Wsk. zacielen krów		
JUJ™	+13.8		+0.9		
PTAT	+0.10	81% Powt.	Wsk. zacielen jałówek		
			-0.4		
			<b>Płodność buhaja</b>		
			PregCheck™	N/A	N/A Powt.
			PregCheck+™	102	91% Powt.
			SCR	N/A	

Cecha	Profil	STA
Wzrost	Niski	Wysoki 0.2
Budowa	Delikatna	Mocna 0.6
Typ mleczny	Mocny	Lekki -0.2
Pochylenie zadu	Uniesiony	Spadzisty -0.6
Szerokość zadu	Wąski	Szeroki 0.2
Tylne nogi z boku	Pionowe	Lukowate 0.7
Ustawienie racic	Płaskie	Strome -0.3
Zaw.przed.wym	Wysoki	Mocna 0.5
Wysokość wymienia	Płaskie	Niski -0.7
Szerokość wymienia	Wąskie	Szerokie -0.1
Więzadło	Słabe	Mocna -0.2
Głębokość	Głęboka	Płytko 0.3
Przednie strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.1
Tylne strzyki	Szeroki	Zbieżne -0.3
Długość strzyków	Niski	Długie 0.5



## RAFIKI

PEAK RAFIKI

001AN01722

20785658 | Data urodzenia 11/06/2023

### RODOWÓD

HPCA VERACIOUS	MILL BRAE IDENTIFIED 4031
	H P C A SUNRISE A246
B&B 0F04 OF 6528XFIREBALL	GB FIREBALL 672
	2 BAR PARTNER 6528

### EPDS

American Angus Association - 4/2026

	Produkcja								Cechy matczyne								
	CED	BW	WW	YW	RADG	DMI	YH	SC	HPG	CEM	Milk	TEAT	UDDR	FL	MW	MH	\$EN
EPD	10	1.2	79	151	0.35	1.81	1.0	0.27	12.4	11	37	0.38	0.43	1.01	70	0.9	-26.00
ACC	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
TOP (%)	25	50	20	10	2	90	10	85	35	25	4	80	75	70	45	15	75

### Zarządzanie

	DOC	Claw	Angle	PAP	HS
EPD	18.0	0.43	0.56	2.08	-0.03
ACC	-	-	-	-	-
TOP (%)	55	30	90	75	1

### Wartość rzeźna

Angus w hodowli  
mlecznej  
Wartość w  
dolarach

### Wartość w dolarach

	CW	MARB	RE	Fat	\$AxH	\$AxJ	\$M	\$W	\$F	\$G	\$B	\$C
EPD	80	2.30	0.89	0.060	286	264	71	89	132	133	265	415
ACC	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
TOP (%)	5	1	25	90	1	1	35	10	5	1	1	1

# RASA RED ANGUS



## COLD FRONT

JFCC COLD FRONT 981

001AR00979

4131930 | Data urodzenia 07/12/2019

### RODOWÓD

OVER DRAFT PICK 413D	C-T RED QUEST 4010
	OVER BLUSH 413B
JFCC DANCE 555	BIEBER ROOSEVELT W384
	HUSTON DANCE 2013Z

### INFORMACJA O BUHAJU

Waga urodzeniowa (lbs)	82
Waga w dniu 205 (lbs)	804
Waga w dniu 365 (lbs)	1274

### EPDS

Red Angus Association of America - 3/2026

	ProS	HB	GM	CED	BW	WW	YW	ADG	DMI	Milk	ME	HPG	CEM	STAY	MARB	YG	CW	REA	Fat
EPD	127.00	71.00	56.00	17	-3.8	61	92	0.20	0.14	13	3	14.0	9	17	0.58	0.17	19	-0.19	0.030
ACC	-	-	-	0.52	0.60	0.60	0.60	0.54	0.34	0.24	0.16	0.24	0.44	0.38	0.42	0.35	0.44	0.43	0.35
TOP (%)	25	25	45	10	20	70	80	80	10	95	40	20	15	20	30	85	65	95	65

**Zamień dane w realne rezultaty**  
dzięki analizom, które możesz wykorzystać w praktyce.

**HerdMonitor**  
Powered by **nedap**

**System monitorowania krów GENEX HerdMonitor™**

dostarcza informacji w czasie rzeczywistym  
dotyczących rui i zdrowia, natomiast

**bramka sortująca SmartSort**

automatycznie oddziela krowy na podstawie tych  
danych – bez zamykania całych grup i bez  
zakłócania płynnego ruchu zwierząt.



**Wyszukuj i sortuj buhaje**

za pomocą aplikacji GENEX Bull Search!



Zeskanuj kod QR  
i pobierz aplikację  
już dzisiaj!

**GENEX™**  
DLA POKOLEŃ



## URBIS PP

FR 7122113148

Data urodzenia: 19.03.2023

Rasa  
**Charolaise**

### Rodowód:

O: SPIDERMAN FR 3615681222  
OO: MIKADO FR 7122046936  
MO: NAOMIE FR 3615377928  
M: NAPOLIE SC FR 7122107794  
OM: ENRICO SC P FR 8563019066  
MM: JARDINA FR 7121944369

**Waga urodzeniowa:** 48kg

**Waga w 365 dniu:** 557kg

**Łatwość wycieleń:** 101



## HURON PP

CZ 224602034

Data urodzenia: 14.11.2021

Rasa  
**Limousine**

### Rodowód:

O: NEPAL P FR 2424667546  
OO: LEADER P FR 2424504344  
MO: ETANE FR 2424529887  
M: PP CZ 738621931  
OM: JERK P FR 1627497663  
MM: ZOLA Z TODNĚ P 486673931 CZ

**Waga urodzeniowa:** 49kg

**Waga w 365 dniu:** 529kg

**Łatwość wycieleń:** 97



## HAVLMAR

CZ 303046034

Data urodzenia: 03.12.2022

Rasa  
**Montbeliard**

### Rodowód:

O: OBREZAC FR 1539048863  
OO: MACINTOSH FR 5619370036  
MO: FR 1537077945  
M: CZ 000742725931  
OM: ITACHI FR 8549934010  
MM: CZ 000656627931

**Mleko:** +739

**Indeks płodności:** 102

**Łatwość wycieleń:** 108



**VIGO PP**

AT 247870689

Data urodzenia: 21.01.2023

Rasa  
**Simmental**

Rodowód:

O: VISTO AT 523781674

OO: VICTIM DE 953973534

MO: EMELE Pp\* AT 675963168

M: HOMTOR AT 722635174

OM: IRREGUT DE 950075810

MM: HOBEAT AT 807616168

**Mleko:** +726

**Indeks płodności:** 117

**Łatwość wycieleń:** 102

# Genomowanie

- przyszłość Twojej hodowli

**Poznaj potencjał genetyczny  
zwierząt zanim trafią do rozrodu.**

Trafniejsze decyzje hodowlane

Zdrowsze i bardziej wydajne stado

Minimalna liczba próbek: 20 TSU

Kontakt: 502 653 560 lub [biuro@genex.coop](mailto:biuro@genex.coop)

**GENEX**<sup>™</sup>  
DLA POKOLEŃ

# Terminologia

## Indeks ICC™

ICC™ dla krów rasy Holsztyń to indeks GENEX opracowany z myślą o zrównoważonej selekcji genetycznej pod kątem wydajnej produkcji, zrównoważonego rozwoju i płodności córek. ICC™ dla krów rasy Jersey to indeks GENEX opracowany z myślą o zrównoważonej selekcji pod kątem komponentów mleka, zrównoważonego rozwoju i płodności córek.

## Wartość netto w całym okresie życia NM\$

Obliczany przez Council on Dairy Cattle Breeding (CDCB) i mierzy zysk netto w ciągu całego życia przeciętnej córki buhaja.

## Wiarygodność (Rel)

Miara ilości informacji zawartych w danej cesze. Wiarygodność wyrażana jest w procentach, w zakresie od 1 do 99. Im bliższa 99 jest wartość wiarygodności, tym bardziej wiarygodna jest wycena.

## Mleko

Przewidywana zdolność produkcyjna w odniesieniu do produkcji mleka w funtach, odzwierciedlająca oczekiwaną produkcję mleka przyszłych dorosłych córek.

## Białko

Przewidywana przekazywana wartość dla produkcji białka w funtach, odzwierciedlająca przewidywaną produkcję przyszłych dorosłych córek.

## Białko %

IWskazuje czy genetyczna przewidywalna zdolność przekazywania cechy buhaja w zakresie zawartości białka jest dodatnia czy ujemna.

## Tłuszcz

Przewidywana zdolność przekazywania cechy zwiększająca zawartość tłuszczu wyrażona w funtach, odzwierciedlająca oczekiwaną produkcję tłuszczu mlecznego u przyszłych córek tego buhaja.

## Tłuszcz %

Określa, czy buhaj genetycznie przekazuje wyższą lub niższą zawartość tłuszczu w mleku.

## Białko + Tłuszcz (CFP)

Suma wartości PTA dla tłuszczu (w funtach) oraz PTA dla białka (w funtach).

## Oszczędność Paszy

Wskazuje oczekiwaną liczbę funtów paszy zaoszczędzonej w jednej laktacji, na podstawie oceny Indeksu Masy Ciała (Body Weight Composite) oraz Resztkowego Pobrania Paszy (Residual Feed Intake). Wyższe, dodatnie wartości są bardziej korzystne.

## RobotX™

Indeks stworzony przez GENEX, skupiający się na genetyce ułatwiającej dojenie, szczególnie w stadach wyposażonych w roboty udojowe. Wartość 100 jest uważana za średnią, a wyższe wartości są bardziej pożądane.

## Produkcja Życiowa

Miara oczekiwanej średniej długości życia córki buhaja, mierzona w miesiącach.

## Żywotność Krów

Prognozuje różnicę w odsetku jałówek, które pozostaną przy życiu w stadzie w okresie użytkowania mlecznego, wyrażoną w punktach procentowych względem bazy rasowej.

## Żywotność Jałówek

Określa oczekiwany procent córek buhaja, które pozostanie żywe od 2. dnia po urodzeniu do 18. miesiąca życia w stadzie o przeciętnych warunkach utrzymania. Wyższe, dodatnie wartości są bardziej pożądane.

## Komórki Somatyczne

Wynik PTA dla Komórek somatycznych służy do poprawy odporności na mastitis. Byki o niższych wartościach Komórek somatycznych powinny mieć córki o lepszej odporności na mastitis.

## Płodność Córek

Cecha płodności córek, która pozwala przewidzieć odsetek krów niebędących w ciąży, które zajądą w ciążę w ciągu każdego 21-dniowego cyklu rujowego w porównaniu z podstawą rasy.

## Współczynnik Zacieleń Krów

Jest to cecha płodności samic, która prognozuje zdolność krowy w laktacji do zajścia w ciążę. Określany jest jako oczekiwany odsetek ciąż uzyskanych przy każdej inseminacji, w porównaniu ze średnią w rasie.

## Współczynnik Zacieleń Jałówek

Jest to cecha płodności samic, prognozująca zdolność młodej, jeszcze niekrytej jałówki do zajścia w ciążę. Określany jest jako oczekiwany odsetek ciąż uzyskanych przy każdej inseminacji, w porównaniu z bazą rasową.

## Prędkość Doju

Określa, jak szybko krowa się doi. Wartość ta jest wyrażana w funtach na minutę.

## Cechy Zdrowotne CDCB

CDCB dostarcza oceny genetyczne kluczowych cech zdrowotnych, w tym: metritis (zapalenie macicy), mastitis (zapalenie wymienia), przemieszczenie trawienia, ketoza, gorączka mleczna oraz zatrzymanie łożyska. Wartość każdej z cech wskazuje oczekiwaną odporność potomstwa zwierzęcia w porównaniu ze średnią bazową dla rasy. Wyrażana jest w punktach procentowych.

## Łatwość Wycieleń Buhaja

Określa, jak często potomstwo danego buhaja rodzi się bez komplikacji. Wartość wyrażana jest jako odsetek trudnych porodów u jałówek cielących się po raz pierwszy (pierwiastek), w porównaniu z innymi buhajami użytymi w inseminacji w roku referencyjnym.

## Łatwość Wycieleń Córek

Określa skłonność córek danego buhaja do łatwych porodów. Wskaźnik wyrażany jest jako odsetek trudnych wycieleń u pierwiastek (krów cielących się po raz pierwszy), w porównaniu z buhajami urodzonymi w roku referencyjnym.

## Przeżywalność Buhaja

Określa skłonność buhaja do wydawania potomstwa rodzącego się martwego (czyli martwego przy porodzie lub padającego w ciągu 48 godzin po urodzeniu). Wartość wyrażana jest jako procent w porównaniu z potomstwem innych buhajów używanych w inseminacji w okresie referencyjnym.

## Przeżywalność Córek Buhaja

Określa skłonność córek danego buhaja do wydawania potomstwa rodzącego się martwego (czyli martwego przy porodzie lub padającego w ciągu 48 godzin po urodzeniu). Wskaźnik wyrażany jest jako procent w porównaniu z córkami innych buhajów używanych w inseminacji w okresie referencyjnym.

## MUI

Współczesny indeks wymienia (MUI), opracowany przez PEAK na podstawie cech pokrojowych holsztyńców, to nowoczesna strategia selekcji ukierunkowana na współczesny typ wymienia. MUI wspiera wysoką produkcję życiową i długowieczność krów, jednocześnie nie zwiększając ich wielkości. Indeks ten promuje „złoty środek” w cechach przydatnych w hali udojowej, takich jak położenie i długość strzyków, utrzymując jednocześnie mocne podwieszenie wymienia i zapewniając stały postęp zarówno w przednim, jak i tylnym wymieniu.

## Indeks Typu

Szacunkowa ocena przewagi genetycznej w zakresie budowy ciała, którą buhaj prześle potomstwu.

## Indeks budowy wymienia (UDC)

Jest to wskaźnik oceniający zdolność buhaja do poprawy budowy wymienia u jego potomstwa. Indeks publikowany jest przez odpowiednie stowarzyszenie hodowlane dla danej rasy.

## Indeks Budowy Nóg i Racic (FLC)

Jest to wskaźnik oceniający zdolność buhaja do poprawy pokroju nóg i racic u jego potomstwa. Indeks publikowany jest przez stowarzyszenie hodowlane danej rasy.

## TPI® (Total Performance Index®)

Jest to indeks hodowlany opracowany i obliczany przez Holstein Association USA.

## PregCheck™

Ranking płodności PregCheck™ to ocena stworzona przez GENEX określająca skuteczność zapładniania nasieniem konwencjonalnym. Powstaje na podstawie rzeczywistych danych z inseminacji oraz potwierdzonych wyników ciąży. Skala ma wartość bazową 100 - wyniki równe 100 lub wyższe wskazują na ponadprzeciętną skuteczność.

## PregCheck+™

Ranking płodności PregCheck+™ to ocena stworzona przez GENEX określająca skuteczność zacieleń nasieniem seksowanym GenChoice™ pochodzącym od konkretnego buhaja. Wartość bazowa rankingu wynosi 100 — wyniki na poziomie 100 lub wyższe wskazują na lepszą od przeciętnej zdolność zapładniania.

## Wskaźnik Zacieleń Buhaja

Jest to cecha płodności buhajów, która prognozuje różnicę w przyszłych wynikach zacieleń uzyskiwanych z nasienia danego buhaja. Wartość wyrażana jest jako odchylenie (w punktach procentowych) od średniego poziomu zacieleń buhajów inseminacyjnych danej rasy.

## Beta Kazeina

Beta-kazeina - jedno z głównych białek kazeinowych mleka. Występuje w kilku wariantach genetycznych, m.in. A1A1, A1A2 oraz A2A2.

## Kappa Kazeina

Warianty A,B i E związane z białkiem mleka i jego jakością. Kombinacje wariantów są związane z przetwarzaniem sera.

## Cechy Typu Liniowego

Oceny genetyczne liniowych cech pokrojowych u holsztyńców są wyrażane jako Standardowe Zdolności Przekazywania (STA), a u innych ras — jako odchylenie od średniej wyrażone w punktach procentowych.

## Baza Genetyczna

Podstawą genetyczną dla ocen jest średnia krów urodzonych w 2020 roku.

Aby uzyskać pełną wycenę buhaja, pobierz aplikację GENEX Dairy Bull Search.



# GENEX™

## D L A P O K O L E Ń

### Doradcy GENEX

---



**Paweł Rośliniec**

Sales Team Leader

kom. +48 506 583 193

pawel.roslaniec@genex.coop

Województwa: warmińsko-mazurskie, podlaskie



**Michał Żukowski**

Doradca hodowlany

kom. +48 506 583 198

michal.zukowski@genex.coop

Województwa: warmińsko-mazurskie, pomorskie



**Paweł Grała**

Doradca hodowlany

kom. +48 690 685 282

pawel.grala@genex.coop

Województwa: wielkopolskie, dolnośląskie, śląskie, opolskie, lubuskie i łódzkie

---

**Specjalista ds. Systemu GENEX HerdMonitor™**

**Robert Stanisławski**

kom. +48 502 391 581

biuro@genex.coop

**GenChoice™**  
Nasienie Seksowane

**HerdMonitor™**  
System Monitorowania Krów

**PregCheck™**  
Rankingi Płodności